PCT

WELTORGANISATION FÜR GEISTIGES EIGENTUM Integnationales Büro

INTERNATIONALE ANMELDUNG VERÖFFENTLICHT NACH DEM VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS (PCT)

(51) Internationale Patentklassifikation 6:

C12N 9/16, 9/18, 1/15, C12P 21/02, C11B 3/00

A1

(11) Internationale Veröffentlichungsnummer: WO 98/31790

(43) Internationales

Veröffentlichungsdatum:

23. Juli 1998 (23.07.98)

(21) Internationales Aktenzeichen:

PCT/EP98/00081

(22) Internationales Anmeldedatum:

8. Januar 1998 (08.01.98)

(30) Prioritätsdaten:

197 01 348.1

16. Januar 1997 (16.01.97)

DE

(71) Anmelder (für alle Bestimmungsstaaten ausser US): RÖHM GMBH [DE/DE]; Kirschenallee, D-64293 Darmstadt (DE).

(72) Erfinder; und

- (75) Erfinder/Anmelder (nur für US): LÖFFLER, Fridolin [DE/DE]; Karl-Henkelmann-Weg 4, D-64625 Bensheim (DE). JUNGSCHAFFER, Gerald [DE/DE]; Hähnleiner Strasse 1A, D-64665 Alsbach-Hähnlein (DE). KHANH, Quoc, Nguyen [DE/DE]; Am Tannenberg 9, D-64385 Reichelsheim (DE). SCHUSTER, Erwin [DE/DE]; Darmstädter Strasse 237, D-64625 Bensheim-Auerbach (DE). SPRÖSSLER, Bruno [DE/DE]; Auf der Schmelz 93, D-64380 Roßdorf (DE). WOLF, Sabine [DE/DE]; Otzbergstrasse 44, D-64853 Otzberg (DE).
- (74) Anwalt: WEISERT, Annekäte; Kraus & Weisert, Thomas-Wimmer-Ring 15, D-80539 München (DE).

(81) Bestimmungsstaaten: AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, CA, CH, CN, CU, CZ, DK, EE, ES, FI, GB, GE, GH, GM, GW, HU, ID, IL, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MD, MG, MK, MN, MW, MX, NO, NZ, PL, PT, RO, RU, SD, SE, SG, SI, SK, SL, TJ, TM, TR, TT, UA, UG, US, UZ, VN, YU, ZW, ARIPO Patent (GH, GM, KE, LS, MW, SD, SZ, UG, ZW), eurasisches Patent (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), europäisches Patent (AT, BE, CH, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), OAPI Patent (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

Veröffentlicht

Mit internationalem Recherchenbericht.

Vor Ablauf der für Änderungen der Ansprüche zugelassenen Frist. Veröffentlichung wird wiederholt falls Änderungen eintreffen.

- (54) Title: PROTEIN WITH PHOSPHOLIPASE ACTIVITY
- (54) Bezeichnung: PROTEIN MIT PHOSPHOLIPASEAKTIVITÄT

(57) Abstract

The invention concerns a protein with phospholipase activity which is characterized in that it comprises the mature sequence of Aspergillus lysophospholipase or a sequence derived therefrom and can be cleaved at at least one point. In the event of cleavage, either the cleaved parts are bonded via at least one bond which can be cleaved under reduction conditions, or at least one of the non-cleaved parts has phospholipase activity. The invention further concerns a process for producing this protein by fermentation in a suitable culture medium of a host organism which produces lysophospholipase transformed in suitable manner and isolating the protein with phospholipase activity from the cell-free culture filtrate, fermentation being carried out in an acidic to slightly alkaline range.

(57) Zusammenfassung

Die Erfindung betrifft ein Protein mit Phospholipaseaktivität, das dadurch gekennzeichnet ist, daß es die reife Sequenz der Aspergillus-Lysophospholipase oder eine davon abgeleitete Sequenz besitzt und an mindestens einer Stelle gespalten sein kann, wobei im Falle einer Spaltung die Spaltstücke entweder über mindestens eine unter reduzierenden Bedingungen spaltbare Bindung verknüpft sind, oder von den unverknüpften Spaltstücken mindestens eines Phospholipaseaktivität besitzt sowie ein Verfahren zur Produktion dieses Proteins durch Fermentation eines in geeigneter Weise transformierten Lysophospholipase produzierenden Wirtsorganismus in einem geeigneten Kulturmedium und Isolierung des Proteins mit Phospholipaseaktivität aus dem zellfreien Kulturfiltrat, wobei man die Fermentation im sauren bis leicht alkalischen Bereich durchführt.

LEDIGLICH ZUR INFORMATION

Codes zur Identifizierung von PCT-Vertragsstaaten auf den Kopfbögen der Schriften, die internationale Anmeldungen gemäss dem PCT veröffentlichen.

\mathbf{AL}	Albanien	ES	Spanien	LS	Lesotho	SI	Slowenien
AM	Armenien	FI	Finnland	LT	Litauen	SK	Slowakei
AT	Österreich	FR	Frankreich	LU	Luxemburg	SN	Senegal
ΑU	Australien	GA	Gabun	LV	Lettland	SZ	Swasiland
AZ	Aserbaidschan	GB	Vereinigtes Königreich	MC	Monaco	TD	Tschad
BA	Bosnien-Herzegowina	GE	Georgien	MD	Republik Moldau	TG	Togo
BB	Barbados	GH	Ghana	MG	Madagaskar	ТJ	Tadschikistan
BE	Belgien	GN	Guinea	MK	Die ehemalige jugoslawische	TM	Turkmenistan
BF	Burkina Faso	GR	Griechenland		Republik Mazedonien	TR	Türkei
BG	Bulgarien	HU	Ungarn	ML	Mali	TT	Trinidad und Tobago
BJ	Benin	IE	Irland	MN	Mongolei	UA	Ukraine
BR	Brasilien	IL	Israel	MR	Mauretanien	UG	Uganda
BY	Belarus	IS	Island	MW	Malawi	US	Vereinigte Staaten von
CA	Kanada	IT	Italien	MX	Mexiko		Amerika
CF	Zentralafrikanische Republik	JP	Japan	NE	Niger	UZ	Usbekistan
CG	Kongo	KE	Kenia	NL	Niederlande	VN	Vietnam
CH	Schweiz	KG	Kirgisistan	NO	Norwegen	YU	Jugoslawien
CI	Côte d'Ivoire	KP	Demokratische Volksrepublik	NZ	Neuseeland	$\mathbf{z}\mathbf{w}$	Zimbabwe
CM	Kamerun		Korea	PL	Polen		
CN	China	KR	Republik Korea	PT	Portugal		
CU	Kuba	KZ	Kasachstan	RO	Rumänien		
\mathbf{CZ}	Tschechische Republik	LC	St. Lucia	RU	Russische Föderation		
DE	Deutschland	LI	Liechtenstein	SD	Sudan		
DK	Dänemark	LK	Sri Lanka	SE	Schweden		
\mathbf{EE}	Estland	LR	Liberia	SG	Singapur		

PROTEIN MIT PHOSPHOLIPASEAKTIVITÄT

Beschreibung

Die Erfindung betrifft ein Protein mit Phospholipaseaktivität, das die reife Sequenz der Aspergillus-Lysophospholipase oder eine davon abgeleitete Sequenz besitzt und an mindestens einer Stelle gespalten sein kann, wobei gegebenenfalls die Spaltstücke entweder über mindestens eine unter reduzierenden Bedingungen spaltbare Bindung verknüpft sind oder von den unverknüpften Spaltstücken mindestens eines Phospholipaseaktivität besitzt. Ferner betrifft die Erfindung ein Verfahren zur Produktion dieses Proteins sowie die Verwendung dieses Proteins zur Entschleimung von pflanzlichen Ölen und als Backhilfsmittel.

Bei der Entschleimung von Speiseöl werden nicht hydratisierbare Phospholipide durch Phopholipase wasserlöslich gemacht und so schonend, kostensparend und umweltfreundlich aus dem Speiseöl entfernt. In der europäischen Patentanmeldung 0 513 709 (Röhm/Lurgi) wird erstmals ein wirksames enzymatisches Verfahren zur Entschleimung vorgestellt. Dabei wird ein mit Wasser vorentschleimtes Speiseöl mit einer wäßrigen Lösung einer Phospholipase zu Tröpfchen kleiner 10 μ m emulgiert. Nach der Hydrolyse (pH 3 bis 6, Temperatur 50 bis

70°C) wird die wäßrige Phase abgetrennt. Das enzymatische Entschleimungsverfahren wurde als "EnzyMax-Verfahren" von der Firma Lurgi in der Speiseölindustrie eingeführt. In der DE 43 39 556 wird als weitere Variante dieses Verfahrens die Wiederverwendung des Enzyms beschrieben, indem man das Enzym aus einer gebrauchten, schlammhaltigen wäßrigen Phase durch Zusatz von Tensiden oder Lösungsvermittlern ablöst und als weitgehend schlammfreie, enzymhaltige Lösung wiederverwendet.

Die Bereitstellung der erforderlichen Mengen an Enzym für die Betreibung eines großtechnischen Verfahrens kann nur mit Hilfe von Mikroorganismen gedeckt werden. Es besteht also ein Bedarf nach einer mikrobiellen Quelle, die erlaubt, das Enzym Phospholipase in unbeschränkten Mengen zu produzieren. In der DE-OS 195 27 274.9 vom 26.07.1995 (Röhm/Lurgi) wird beschrieben, daß in Aspergillus niger eine geeignete Phospholipase gefunden wurde. Sie spaltet Lecithin zu Lysolecithin, ist aber auch in der Lage Lysolecithin weiter zu spalten zum Phosphatidylcholin. Reine Lysophospholipasen aus Aspergillus, die nur Lysolecithin zu spalten vermögen, sind im Entschleimungsprozeß wirkungslos. Das gilt auch für die nicht acylspaltenden Phospholipasen C und D.

Ferner können Phospholipasen auch als Backhilfsmittel zur Verbesserung der Verarbeitung des Teigs verwendet werden.

Der vorliegenden Erfindung liegt die Aufgabe zugrunde, eine kostengünstige Phospholipase in hoher Reinheit herzustellen. Die Phospholipase soll durch einen transformierten Wirtsorganismus in großen Mengen produziert werden können. Mit dem Enzym sollen Präparate hergestellt werden können, die sich besonders gut zur Hydrolyse von Phospholipiden und somit zur Klärung von Stärkehydrolysaten und zur Herstellung von Backhilfsmitteln eignen.

WO 98/31790 PCT/EP98/00081

- 3 -

Erfindungsgemäß wird diese Aufgabe gelöst durch ein Protein mit Phospholipaseaktivität, das dadurch gekennzeichnet ist, daß es die reife Sequenz der Aspergillus-Lysophospholipase oder eine davon abgeleitete Sequenz besitzt und an mindestens einer Stelle gespalten sein kann, wobei im Falle einer Spaltung die Spaltstücke entweder über mindestens eine unter reduzierenden Bedingungen spaltbare Bindung verknüpft sind oder von den unverknüpften Spaltstücken mindestens eines Phospholipaseaktivität besitzt. Ferner wird diese Aufgabe gelöst durch ein Protein mit Phospholipaseaktivität, das dadurch gekennzeichnet ist, daß es von einem Antikörper gegen gereinigte Phospholipase aus Aspergillus foetidus RH 3046 erkannt wird.

Es wurde überraschenderweise gefunden, daß ein mit der aus Aspergillus isolierbaren Desoxyribonukleinsäure (DNA) gemäß der DE-OS 196 20 649.9 transformierter Mikroorganismus nicht nur eine Lysophospholipase codiert, sondern unter bestimmten Kulturbedingungen auch in eine Phospholipase prozessiert wird. Die Phospholipase besitzt somit die gleiche Primärstruktur wie die Lysophospholipase, jedoch eine andere Sekundär- und Tertiärstruktur und somit andere physiologische Eigenschaften. Die entsprechende Sequenz ist in SEQ ID No. 1 der DE-OS 196 20 649.9 dargestellt. Eine weitere Phospholipase codierende Sequenz wurde aus Aspergillus niger isoliert, sie unterscheidet sich in nur 6% der Aminosäuren von der homologen Sequenz aus Aspergillus foetidus. Sowohl die Phospholipase aus Aspergillus niger wie die Lysophospholipase aus Aspergillus foetidus bestehen aus 270 Aminosäuren und haben ein Molekulargewicht von 36000 Da (siehe SEQ ID No. 1+2). Bezüglich des Erhalts der transformierten Mikroorganismen wird auf die Offenbarung der DE-OS 196 20 649.9 Bezug genommen. Eine Phospholipase aus Aspergillus wurde bisher im Stand der Technik nicht beschrieben. Die Druckschrift Nakaya - 4 -

et al., Eur. J. Biochem. 1990, 193 (1) 31-38 beschreibt ein Protein, dessen Sequenz der Phospholipase A2 ähnlich ist.

Durch proteinchemische Methoden ließ sich Phospholipase von Lysophospholipase trennen und hochgereinigt gewinnen. Vergleich der gereinigten Phospholipase und Lysophospholipase ergaben sich folgende Unterschiede:

- Die Molekulargewichte von Phospholipase und Lysophospholipase aus Aspergillus foetidus, gemessen mit der SDS-Gelelektrophorese, betragen unter reduzierenden Bedingungen ca. 30000 Da für Phospholipase und ca. 36000 Da für Lysophospholipase, unter nicht reduzierenden Bedingungen dagegen liegen sie für beide Enzyme gleich bei ca. 36000 Da. Unter reduzierenden Bedingungen zerfällt die Phospholipase in zwei Ketten, von denen die größere (30000 Da) im Elektrophoresegel erfaßt wird. Das Teilstück in der Größe von ca. 6000 Da kann aus methodischen Gründen im gleichen Elektrophoresegel nicht nachgewiesen werden, jedoch kann man aus diesem Befund ableiten, daß Phospholipase aus zwei Peptidketten besteht. Diese Vorstellung wird durch das Ergebnis der Proteinsequenzierung bestätigt.
- Die Proteinsequenzierung der Phospholipase aus Aspergillus foetidus ergab eine hohe Übereinstimmung mit der Sequenz der Lysophospholipase, jedoch auch Unterschiede. Bei Phospholipase wurden zwei NH2-Termini im Verhältnis 1:1 gefunden, bei Lysophospholipase dagegen nur einer. Einer der beiden NH2-Termini der Phospholipase gehört zu einem 6000 Da-Peptid, während der andere der NH2-Terminus des 30000 Da-Proteins ist. Während das kleinere Peptid mit den Aminosäuren 1 bis 44 des reifen Lysophospholipase-Proteins (vgl. Sequenz ID No. 1 in DE-OS 196 20 649.9) übereinstimmt, entspricht die Sequenz des 30000 Da-Proteins den Aminosäuren 45 bis 270

der Lysophospholipase (vgl. Sequenz ID No. 1 in DE-OS 196 20 649.9).

Dieser Befund legt nahe, daß die Phospholipase aus Aspergillus foetidus durch Prozessierung des Lysophospholipase-Proteins entstehen kann, wobei noch ungeklärt ist, ob die Prozessierung innerhalb oder außerhalb der Zelle stattfindet und
in welcher Weise sie abläuft. Die Beziehungen zwischen Phospholipase und Lysophospholipase sind in Figur 1 dargestellt.

Weiter unterscheiden sich Phospholipase und Lysophospholipase in ihren isoelektrischen Punkten, ihren pH- und Temperaturoptima sowie sehr deutlich in ihren Temperaturstabilitäten. In der folgenden Tabelle werden diese Werte gegenübergestellt.

Tabelle 1: Vergleich der Eigenschaften von Phospholipase und Lysophospholipase aus Aspergillus foetidus

	Phospho- lipase	Lysophos- pholipase
Molgewicht (SDS-Gel, reduz.)	30000 Da	36000 Da
Molgewicht (SDS-Gel, nicht-reduz.)	36000 Da	36000 Da
Isoelektr. Punkt	pH 4,3	pH 4,2
Temperatur-Optimum	50°C	55°C
pH-Optimum	pH 3-4	pH 4,5
pH-Stabilität (1 Std. bei 60°C)	pH 3,5 >75% Restakt.	pH 4,5 10% Restakt.

Zum Erhalt der Phospholipase an Stelle der Lysophospholipase aus den betreffenden Mikroorganismen sind die Fermentationsbedingungen wesentlich. Wesentlich für die Bildung der Phospholipase ist die Durchführung der Kultur in einem sauren bis leicht alkalischen Medium. Der pH-Wert liegt dabei geeigne-

- 6 -

terweise in einem Bereich von 2 bis 9, bevorzugt 3 bis 8. Unter diesen Bedingungen wird bevorzugt Phospholipase gebildet. Dabei wird wie folgt vorgegangen:

Zunächst wird ein geeigneter Wirt ausgewählt mit dem Ziel einer möglichst einfachen Herstellung der Phospholipase. Obwohl viele Arten von Schimmelpilzen als mögliche Wirte in Betracht kommen, wie zum Beispiel Vertreter der thermophilen Gattungen Humicola, Thermomyces und Mucor, der Gattungen Rhizopus, Absidia, Chaetomium, Trichoderma, Thielavia, Penicillium und Cephalosporium, wurden bevorzugt Arten der Gattung Aspergillus verwendet. Nach Transformation mit den erfindungsgemäßen Plasmiden lassen sich Transformanten isolieren, die, verglichen mit den Wirten, Phospholipase in großen Mengen produzieren. Bevorzugt ist der transformierte Wirtsorganismus ein Aspergillus-Stamm der Arten Aspergillus oryzae, Aspergillus sojae, Aspergillus niger, Aspergillus awamori, Aspergillus foetidus, Aspergillus ellipticus, Aspergillus aculeatus, Aspergillus carbonarius oder Aspergillus phoenicis oder ein Trichoderma-Stamm der Arten Trichoderma viride, Trichoderma longibrachiatum oder Trichoderma reesei.

Eine Transformante, die durch Cotransformation eines Wirtsstammes mit einem Selektionsplasmid, bevorzugt mit pAN7-1, p3SR2 oder pSTA10, und einem Expressionsplasmid, bevorzugt mit pKC3, pKC9, pKC12 oder pKCN2, hergestellt wird, züchtet man in einer für den Wirtsstamm üblichen Nährlösung, die mindestens eine verwertbare C-Quelle, wie z.B. Maisschrot, Stärke, Dextrin aus Stärke, und mindestens eine verwertbare organische N-Quelle, wie z.B. Maisquellwasser, Hefeautolysat, Sojamehl, Sojaprotein oder -pepton allein oder in Kombination mit anorganischen N-Quellen wie Ammoniumsalzen oder Nitraten, enthält und nach der Sterilisation auf einen sauren bis leicht alkalischen pH-Wert eingestellt wird. Die Nährlösung kann durch Zugabe von Substanzen, die in besonderem Maße die

Bildung der Phospholipase erhöhen, ergänzt werden. Phospholipide aus Soja enthalten solche Substanzen, doch kommen sie auch in anderen Stoffklassen, wie z.B. den Polyoxyethylenethern vor. Nach Beimpfen der sterilisierten Nährlösung mit Konidien oder vegetativem Mycel der Transformante wächst diese unter Belüftung bei Temperaturen zwischen 20° und 60°C, vorzugsweise zwischen 25° und 45°C, und produziert die erfindungsgemäße Phospholipase. Während der Kultivierung wird der pH-Wert der Kultur durch Säure- oder Laugezugabe korrigiert, so daß er im sauren bis schwach alkalischen Bereich, vorzugsweise zwischen pH 3 und 8, gehalten wird. Nach 48 bis 120 Stunden Kulturdauer kann man die Phospholipase gewinnen, indem man die unlöslichen Nährlösungsreste und die Biomasse abtrennt, was üblicherweise durch Filtration geschieht, und das Filtrat mit üblichen Methoden, wie z.B. durch Ultrafiltration, konzentriert. Das Konzentrat (Retentat) kann zur Entschleimung von Pflanzenölen oder zur Behandlung von Phospholipiden eingesetzt werden. Ferner kann die Phospholipase auch zur Verbesserung der rheologischen Eigenschaften von Lebensmitteln verwendet werden.

Die folgenden Mikroorganismen wurden bei der Deutschen Sammlung von Mikroorganismen und Zellkulturen (DSM), Mascheroder Weg 1B, 38124 Braunschweig, Deutschland, gemäß den Bestimmungen des Budapester Vertrages hinterlegt:

- A. oryzae RH 3745: Hinterlegungsnummer DSM 11283 (Hinterlegungsdatum: 11.11.1996)
- A. ellipticus RH 3886: Hinterlegungsnummer DSM 11284 (Hinterlegungsdatum: 11.11.1996)
- A. foetidus RH 3046: Hinterlegungsnummer DSM 10652
- (Hinterlegungsdatum: 24.04.1996)
- E. coli DH5α pKC3: Hinterlegungsnummer DSM 10653 (Hinterlegungsdatum: 24.04.1996)

E. coli DH5α pKC9: Hinterlegungsnummer DSM 10654 (Hinterlegungsdatum: 24.04.1996)

E. coli DH5 α pKC12: Hinterlegungsnummer DSM 10655

(Hinterlegungsdatum: 24.04.1996)

E. coli pKCN2: Hinterlegungsnummer: DSM 11352

(Hinterlegungsdatum: 23.12.1996)

A. niger RH 3909: Hinterlegungsnummer DSM 11353

(Hinterlegungsdatum: 23.12.1996)

Die Erfindung wird anhand der nachstehenden Beispiele und Figuren näher erläutert.

Die Figur 1 zeigt die Prozessierung des Lysophospholipasegens aus Aspergillus und den Erhalt der Phospholipase.

Die Figur 2 zeigt die Konstruktion des Plasmids pKCN2.

Beispiele

Beispiel 1

Konstruktion des Expressionsvektors pKCN2

Isolierung des Lysophospholipase-Gens aus A. niger NRRL3

Die chromosomale DNA von A. niger NRRL3 wurde nach einer Vorschrift von Hynes, M.J. et al. (1983), Mol. Cell. Biol. 3, 1430-1439, isoliert.

Die erhaltene hochmolekulare DNA wurde mit Sau3AI partiell hydrolysiert und durch Saccharose-Dichtegradientenzentrifugation nach ihrer Größe fraktioniert. DNA-Moleküle der Größe von 9 bis 20 kb wurden in BamHI/EcoRI-hydrolysierte EMBL3-DNA insertiert und in-vitro verpackt.

Zur Identifizierung des chromosomalen Lysophospholipase-Gens in einer Lambda EMBL3-Genbank wurde das HindIII/SalI-cDNA Fragment aus dem Plasmid pKC1/36 als Hybridisierungssonde verwendet. Das Plasmid pKC1/36 enthielt die aus A. foetidus RH 3046 isolierte Lysophospholipase-cDNA.

Nach der Hybridisierung und mehrfacher Vereinzelung ließen sich zwei positive Klone identifizieren. Die Phagen-DNA von Klon Nr. 1 wurde präpariert und mit BamHI hydrolysiert. Sie wies nach der Southern-Hybridisierung ein positives Signal bei ca. 9 kb auf. Das BamHI-Fragment wurde in pUC18 kloniert, und das resultierende Plasmid, welches das vollständige chromosomale Lysophospholipase-Gen enthielt, wurde als pKCN bezeichnet.

Konstruktion des Expressionsvektors pKCN2

In das Plasmid pKCN2 wurde das Lysophospholipase-Gen unter Kontrolle des A. oryzae alpha-Amylase-Promotors und des A. nidulans trpC-Terminators gesetzt.

Die Isolierung des Lysophospholipase-Gens aus dem Plasmid pKCN erfolgte mit Hilfe der PCR-Methode. Es wurden zwei Oligonukleotid-Primer mit den folgenden Sequenzen verwendet:

KC29:

5'-GGA ATT C<u>AC CTG CTA AC</u>C ATG TTC TCT GGA CGG TTT GGA GTG-3'

BspMI* Met

(SEO ID No. 3)

KC43:

5'-C<u>G GGATCC</u> AAG CTA TAG CAG ACA CTC TGA AAT TG-3'

BamHI AMB

(SEO ID No. 4)

Für die Polymerase-Ketten-Reaktion wurden in einem Reaktionsvolumen von 0,1 ml 20 mM Tris-HCl, pH 8,4, 50 mM KCl, 1,5 mM

MgCl₂, 0,2 mM dNTP (je 0,2 mM dATP, dCTP, dGTP, dTTP) je

50 pmol KC29 und KC43, 1 ng pKCN als Matrize und 2,5 U TagPolymerase vermischt. Der Ansatz wurde für 20 Zyklen (94°C,

40 sek; 40°C, 1 min; 72°C, 1 min) durchgeführt. Nach Beendigung der Reaktion wurde das amplifizierte Fragment gereinigt,
mit BspMI und BamHI hydrolysiert und in das mit NcoI/BamHI
gespaltene Plasmid pKE2 insertiert. Das Plasmid pKE2 enthält
den A. oryzae alpha-Amylase-Promotor und den A. nidulas trpCTerminator.

Die Konstruktion des Plasmids pKCN2 wurde durch eine Restriktionsanalyse und die anschließende Sequenzierung bestätigt.

Beispiel 2

<u>Transformationsmethode für Aspergillus- und Trichoderma ree-</u> sei-Stämme

Von einer ca. zwei Wochen alten Petrischalenkultur des zu transformierenden Pilzstammes wurde eine Sporensuspension in ca. 10 ml 0,85 % NaCl durch Abschwemmen unter Zuhilfenahme eines Spatels hergestellt. Es wurden je vier 1 l-Schüttel-kolben mit 100 ml Czapek-Dox-Minimalmedium (Oxoid) mit 0,1 % Hefeextrakt mit je 1 ml Sporensuspension beimpft und ca. 16 Stunden bei 28°C auf einem Rundschüttler bei 120 Umdrehungen pro Minute inkubiert. Das Mycel aus je vier Schüttelkolben wurde über einem Papierfilter geerntet und mit ca. 50 ml MP-Puffer (1,2 M MgSO4 in 10 mM Phosphatpuffer, pH 5,8) gespült. Nach dem Ablaufen des Puffers wurde das feuchte Mycel gewogen. In der Regel wurden ca. 3 bis 5 g Feuchtmycel erhalten.

Pro g Feuchtmycel wurden 5 ml MP-Puffer, 120 μ l Novozym-Lösung (19 Novozym $^{\otimes}$ 234 (Novo Nordisk) in 6 ml MP-Puffer) und

WO 98/31790

- 11 -

25 µl ß-Glucuronidase (Sigma) zugegeben. Die Mycel-Suspension wurde 5 min in Eiswasser gestellt. Anschließend wurden 60 µl Rinderserumalbumin-Lösung (0,2 g Rinderserumalbumin in 4 ml MP-Puffer, sterilfiltriert) zugegeben, und der Ansatz wurde unter leichtem Schütteln bei 30°C inkubiert. Die Bildung von Protoplasten wurde visuell im Mikroskop verfolgt. Wenn keine wesentliche Zunahme der Protoplastenbildung mehr festzustellen war, wurde der Ansatz zur Ernte der Protoplasten abgebrochen. Dies war in der Regel nach etwa 3 bis 5 Stunden der Fall.

Die Protoplastensuspension wurde zur Abtrennung noch vorhandener grober Mycelbestandteile über ein mit MP-Puffer getränktes Glaswollefilter gegeben und in Zentrifugenröhrchen überführt. Die obere Hälfte der Röhrchen wurde mit 600 mM Sorbit, 100 mM Tris/HCl, pH 7,0 überschichtet. Die Röhrchen wurden 10 min bei 2500 g zentrifugiert. Die Protoplasten wurden aus der Zwischenschicht abgenommen und in 1 M Sorbit, 10 mM Tris/HCl, pH 7,5 aufgenommen. Anschließend wurden die Protoplasten zweimal mit STC-Puffer (1 M Sorbit, 10 mM Tris/HCl, pH 7,5, 10 mM CaCl₂) durch Zentrifugation bei 1500 g gewaschen und zuletzt in 1 ml STC-Puffer aufgenommen.

Zur Transformation von A. oryzae wurden 300 µl Protoplastensuspension ca. 10 μg p3SR2 als Selektionsplasmid und 10 μg des jeweiligen Plasmids zur Expression der LPL in 25 μ l 10 mM Tris/HCl pH 8,0 zusammengegeben und 10 min bei 0°C inkubiert. Anschließend wurden nochmals 25 µl des gleichen Plasmidgemisches und 400 µl PEG-Lösung (60% Polyethylenglykol 6000 (Fluka) in 10 mM Tris/HCl, pH 7,5, 50 mM CaCl₂) zusammengegeben, sehr vorsichtig vermischt und 5 min bei Raumtemperatur inkubiert. Es wurden nochmals 600 µl PEG-Lösung zugegeben, vermischt und der Ansatz für weitere 20 min bei Raumtemperatur inkubiert. Der Ansatz wurde mit ca. 9 ml Acetamid-Weichagar (Minimalmedium mit 10 mM Acetamid als einziger N-Quelle, - 12 -

1 M Saccharose, 0,6 Gew.-% Agar) bei 45°C gemischt und auf vier Petrischalen mit dem gleichen Medium, jedoch mit 1,5 Gew.-% Agar (Oxoid) und zusätzlich 15 mM CsCl, verteilt. Die Platten wurden bei 28°C inkubiert. Nach 6 bis 10 Tagen wurden schnell wachsende Kolonien (Transformanten) auf Acetamid-Medium ohne Saccharose überimpft, zweimal über Einzelsporkolonien gereinigt und zuletzt auf Vollmedium, z.B. Kartoffel-Dextrose-Agar, übertragen.

Die Transformation von Stämmen der Arten A. niger, A. awamori, A. japonicus oder A. foetidus kann ebenfalls mit dem Plasmid p3SR2 erfolgen. Bevorzugt wurde die Transformation jedoch mit dem Plasmid pAN7-1 ausgeführt. Die Protoplastenpräparation und die Zugabe von Plasmid-DNA erfolgt dabei in analoger Weise, wie oben für das Plasmid p3SR2 beschrieben. Statt der Zugabe von Acetamid-Weichagar wird jedoch der gesamte Transformationsansatz zu 100 ml Czapek-Dox-Minimalmedium (Oxoid) mit 100 µg Hygromycin B/ml, 1,5 Gew.-% Agar (Oxoid) und 1 M Saccharose, abgekühlt auf ca. 45°C gegeben und vorsichtig vermengt. Der Ansatz wird dann in Portionen zu je 10 ml in Petrischalen gegeben, in denen jeweils 10 ml Czapek-Dox-Minimalmedium (Oxoid) mit 1,5 Gew.-% Agar (Oxoid), jedoch ohne Hygromycin und ohne Saccharose als feste Unterschicht vorgelegt war. Nach dem Erstarren der oberen Agarschicht werden die Petrischalen bei 30 bis 37°C inkubiert. Gegen Hygromycin B resistente Transformanten können nach ca. 3 bis 10 Tagen abgeimpft werden und zur Überprüfung der Resistenz auf Czapek-Dox-Minimalmedium (Oxoid) mit 50 µg Hygromycin B/ml und 1,5 Gew.-% Agar (Oxoid) übertragen werden.

Für die Transformation von A. sojae oder A. phoenicis wird ein drittes Selektionsprinzip genutzt, da die verwendeten Stämme dieser Art sowohl Acetamid verwerten wie auch gegen Hygromycin B resistent sind. Durch Selektion auf chlorathaltigem Nährboden werden Mutanten isoliert, deren Nitratreduktase-Gen (niaD) defekt ist, die also nicht mehr mit Nitrat als alleiniger Stickstoffquelle wachsen (Cove, D.J. (1976) Heredity 36, 191-203). Durch Transformation mit dem Plasmid pSTA10 (Unkles, S.E. et al. (1989) Mol.Gen.Genet. 218, 99-104), auf dem sich die intakte Information für das Nitratreduktase-Gen befindet, wird der Defekt ausgeglichen, so daß die Transformanten mit Nitrat als alleiniger Stickstoffquelle wachsen, während die nicht transformierten Zellen im Wachstum zurückbleiben.

Diese Methodik zur Selektion ist außer für A. sojae genauso für andere Aspergillus-Arten geeignet; die Herstellung der niaD-Mutanten bedeutet allerdings einen zusätzlichen Arbeitsaufwand gegenüber der Verwendung der Hygromycin B-Resistenz oder der Acetamidverwertung.

Beispiel 3

Herstellung von PL sezernierenden Transformanten

Transformanten von A. niger, A. awamori, A. foetidus, A. carbonarius und A. ellipticus

Protoplasten dieser Aspergillus-Arten wurden mit der in Beispiel 1 beschriebenen Methodik hergestellt und unter Verwendung des Plasmids pAN7-1 und jeweils einem der Plasmide pKC3, pKC9, pKC12 oder pKCN2 cotransformiert. Zur Regeneration der Protoplasten wird der Transformationsansatz wie oben beschrieben auf Hygromycin plattiert, die Transformanten werden von den Regenerationsplatten isoliert, gereinigt und in Schüttelversuchen unter Verwendung der folgenden Nährlösung

- 14 -

Maltodextrin	3,75	ફ .		
Maisquellpulver	3,0	%		
KH ₂ PO ₄	1,0	%		
K ₂ HPO ₄	0,7	%		
Triton X-100	0,10	%		
in Leitungswasser,	30 mi	n bei	121°C	sterilisiert,

auf Produktion von PL geprüft. Dazu wird die Biomasse der Schüttelkulturen abfiltriert und die Phospholipase-Aktivität (PLU) im Kulturfiltrat gemessen. Transformanten zeichnen sich durch gegenüber dem Wirtsstamm deutlich erhöhte Phospholipase-Aktivität aus.

Transformanten von A. oryzae und A. aculeatus

Die Protoplastierung und Transformation wird auch mit diesen Arten wie im Beispiel 2 beschrieben durchgeführt. Die Protoplasten werden unter Verwendung des Plasmids p3SR2 und jeweils einem der Plasmide pKC3, pKC9, pKC12 oder pKCN2 cotransformiert. Zur Regeneration der Protoplasten wird der Transformationsansatz wie oben beschrieben auf Nährboden mit Acetamid als alleiniger Stickstoffquelle plattiert, die Transformanten werden von den Regenerationsplatten isoliert, gereinigt und in Schüttelversuchen unter Verwendung der folgenden Nährlösung

Maltodextrin	3,75	%		
Maisquellpulver	3,0	%		
$(NH_4)_2HPO_4$	0,5	બ		
Triton X-100	0,10	%		
in Leitungswasser,	30 mi	n bei	121°C	sterilisiert,

auf Produktion von PL geprüft.

Transformanten von A. sojae und A. phoenicis

Die Stämme A. sojae RH 3782 niaD22 und A. phoenicis RH 3828 niaD, beides nach Cove (1976) hergestellte Mutanten von A. sojae RH 3782 und A. phoenicis RH 3828, werden in der nachfolgenden Nährlösung aus

Glucose (MERCK) 2 %

Malzextrakt (OXOID) 0,5 %

Bacto-Pepton (DIFCO) 0,025 %

deionisiertes Wasser

pH-Wert auf 5,0 einstellen; Sterilisation: 30 min bei
121°C

angezogen. Aus dem Mycel werden nach der in Beispiel 1 beschriebenen Methodik Protoplasten gewonnen und diese mit pSTA10 als Selektionsplasmid und jeweils einem der Plasmide pKC3, pKC9 oder pKC12 cotransformiert. Zur Regeneration der Protoplasten wird der Transformationsansatz mit 9 ml Weichagar (osmotisch stabilisierend) bestehend aus

0,1 M Na-Phosphat-Puffer pH 6,0	15	ml
1 M Saccharose (MERCK)	10,28	g
Millipore-Wasser auf	29,1	ml
Agar (OXOID)	0,18	g (= 0,6 %)
30 min Sterilisation bei 121°C,	anschlie	eßend sterile
Zugabe von:		
Salzlösung (7.14.2)	0,6	ml
1 M NaNO3-Lösung	0,3	ml

gemischt und auf vier Agarplatten der gleichen Zusammensetzung, jedoch mit 1 % Agar hergestellt, verteilt. Nach etwa 6 bis 10 Tagen Inkubation bei 37°C werden die Transformanten von den Agarplatten isoliert, auf Nitrat-Saccharose-Agar

durch Ausstrich gereinigt. Es wurde eine Vielzahl Transformanten durch Selektion und anschließender Reinigung auf einem Nährboden mit Nitrat als einziger N-Quelle erhalten und in Schüttelkolben unter Verwendung der folgenden Nährlösung

auf Produktion von PL geprüft.

Neben Transformanten, die keine oder nur geringe Mengen von PL produzieren, sowie die nicht transformierten Wirtsstämme, werden auch solche Transformanten gefunden, die deutlich erhöhte PL-Aktivität im Kulturfiltrat aufweisen. Diese als Cotransformanten bezeichneten Stämme eignen sich zur Herstellung des Enzyms. In der Tabelle 2 sind typische Ergebnisse der PL-Bildung durch Transformanten und durch die nicht transformierten Wirte gegenübergestellt.

<u>Tabelle 2:</u> Vergleich der PL-Bildung von Wirtsstämmen und Transformanten.

Stamm bzw. Transformante	relative PL-Aktivität
A. oryzae RH 3745 A. oryzae RH 3745 p3SR2 pKC9	100 3000-4000
A. oryzae RH 3745 p3SR2 pKCN2	2000-2500
A. sojae RH 3782 niaD22	100
A. sojae RH 3782 niaD22 pSTA10 pKC9	500-700
A. foetidus RH 3046	100
A. foetidus RH 3046 pAN7-1 pKC9	1000-1500
A. phoenicis RH 3828 niaD	100
A. phoenicis RH 3828 niaD pSTA10 pKC9	400-600
A. ellipticus	100
A. ellipticus pAN7-1 pKC12	800-900
A. heteromorphus niaD	100
A. heteromorphus niaD pSTA10 pKC9	900-1000
A. carbonarius	100
A. carbonarius pAN7-1 pKC9	400-600
A. aculeatus	100
A. aculeatus p3SR2 pKC9	900-1200
A. niger	100
A. niger pAN7-1 pKC12	700-1000
A. awamori	100
A. awamori pAN7-1 pKC12	600-800

Beispiel 4

Reinigung der PL aus A. foetidus

2080 ml Kulturretentat von A. foetidus RH 3788 wurden, um die elektrische Leitfähigkeit herabzusetzen, mit 3520 ml destilliertem Wasser verdünnt und mit 160 ml 1 M NaOH auf pH 7,0 eingestellt. Die Probe hatte ein Volumen von 5760 ml und eine Leitfähigkeit von 7,8 mS/cm.

In einem weiteren Schritt wurde eine Ionenaustauschchromatographie an DEAE-Fractogel (MERCK) vorgenommen. Dazu wurden 5760 ml der Enzymlösung in vier Ansätzen (à 1440 ml) auf eine DEAE-Fractogel-Säule (Höhe 278 mm, Durchmesser 100 mm) aufgetragen. Die Säule wurde mit Puffer A (20 mM Phosphatpuffer aus Na₂HPO₄/KH₂PO₄, pH 7,0 + 15 mM NaCl) gespült. Die Elution erfolgte in einem kontinuierlichen Gradienten von Puffer A zu Puffer B (Puffer A + 1 M NaCl). Es wurde bei einer Elutionsgeschwindigkeit von 70 ml/min eluiert und Fraktionen zu je 350 ml aufgefangen.

Die Fraktionen wurden auf Anwesenheit der PL getestet. Dies geschah durch Messung der PL-Aktivität. Eine PL-Einheit ist danach definiert als die Enzymmenge, die in einer wäßrigen Lösung von Lecithin bei pH 3,5 und 40°C eine Hydrolysegeschwindigkeit von 1 μ M/min bewirkt.

Die Messung der PL-Aktivität wurde wie folgt ausgeführt:

<u>Substrat:</u> 1 g Epikuron 200 (Phosphatidylcholin von Fa. Lucas Meyer) + 100 g destilliertes Wasser + 5 ml 0,32 M $CaCl_2$ -Lösung wurden mit dem Ultra Turrax homogenisiert.

Analyse: 10 ml Substrat wurden mit 10 ml 1 %iger Triton X-100 Lösung (Fa. Fluka) und 5 ml 0,0033 M Zitronensäure-Monohydratlösung versetzt und 10 min bei 40°C temperiert; der pH stellt sich auf 3,4 bis 3,5 ein. 0,1 ml Enzymlösung wurden zugegeben, und das Gemisch wurde 10 min bei 40°C inkubiert. Die Enzymkonzentration im Analysenansatz sollte nicht über 2,5 U/g liegen. Nach Ablauf der Reaktionszeit wurde mit 0,01 M KOH auf pH 10,0 zurücktitriert, wobei die ersten 5 ml zügig zugegeben wurden und dann die Titriergeschwindigkeit verringert wurde, um ein Übertitrieren zu vermeiden.

Für den Blindwert (BW) wurde das Enzym 15 min auf ca. 95°C erhitzt und inaktiviert. Nach dem Abkühlen verdünnte man es wie für den Hauptwert (HW) und verfuhr weiter wie mit dem Hautpwert.

Berechnung:

= PLU/q, pH 3,5 = HW (ml) - BW (ml) * 0,01 M * 100010 min * 0,1 ml * Enzymkonz. g/ml

In der Patentanmeldung 195 27 274.9 vom 26.07.1995 wird die Phospholipase in Lecithase-Units, LU/g angegeben. 1 Lecithase-Unit ist dabei jene Enzymmenge, die bei 40°C, pH 8 aus Eigelb in einer Minute 1 μ M Fettsäure freisetzt. 1 LU/g, pH 8 entsprechen 108 PLU/g, pH 3,5.

Die Elution der PL setzte bei ca. 0,11 M NaCl ein. Die PLhaltigen Fraktionen aus vier Läufen wurden vereinigt (8950 ml) und über einen CH2A-Konzentrator der Fa. Amicon, Hollow-Fiber Patrone MG10.000 auf ein Volumen von 2570 ml eingeengt. Diese Probe wurde mit 782 ml 3 M Ammoniumsulfatlösung unter Rühren versetzt (Probe enthält jetzt 0,7 M Ammoniumsulfat).

Im nächsten Schritt wurden 3352 ml der Probe auf eine Phenyl-Sepharose 6 Fast Flow, Low Substitution-Säule (Pharmacia, Höhe 215 mm, Durchmesser 100 mm) aufgetragen. Die Säule wurde mit Puffer C (20 mM Phosphatpuffer, pH 7,0 + 0,5 M Ammoniumsulfat) nachgewaschen und mit einem kontinuierlichen fallenden Gradienten von Puffer C nach Puffer D (20 mM Phosphatpuffer, pH 7,0) eluiert. Die PL-haltigen Fraktionen wurden vereint (790 ml) und mit dem Konzentrator (siehe oben) eingeengt und gegen Puffer D dialysiert; es wurden 150 ml Probe erhalten.

In einem weiteren Schritt wurden je 30 ml der Probe in 5 Ansätzen auf eine Mono Q-(Pharmacia, 6,3 ml)-Anionenaustausch-Chromatographie-Säule aufgetragen. Die Säule wurde mit Puffer D gespült, und die Elution erfolgte in einem kontinuierlichen Gradienten von Puffer D zu Puffer B und setzte dabei für die PL bei ca. 200 mM NaCl ein.

Die PL-haltigen Fraktionen wurden vereint und über PD-10-Säulen (Pharmacia) gegen Puffer E (20 mM Phosphatpuffer, pH 7,1) dialysiert. Die Probe hatte ein Volumen von 24 ml.

Endreinigung der PL über Mono P HR5/20 (Chromatofokussierung)
Die 24 ml (siehe oben) wurden auf die MONO P-Säule (Höhe
200 mm, Durchmesser 5 mm) aufgetragen. Die Säule wurde mit
Puffer E nachgewaschen. Die Probe wurde mit Puffer F (Polybuffer 74 von Pharmacia 1:10 mit destilliertem Wasser verdünnt und auf pH 4,0 mit 1 M HCl eingestellt) eluiert. Die
PL eluierte, nachdem das 13fache Säulenvolumen an Puffer F
die Säule passiert hatte.

Das gereinigte Protein zeigt in der SDS-Gelelektrophorese eine einheitliche Bande mit einem Molekulargewicht von ca. 31000 Dalton. Der isoelektrische Punkt liegt bei ca. pH 4,3. Das auf diese Weise gereinigte Protein wurde zur SequenzieWO 98/31790

rung verwendet. Die so isolierte Phospholipase wurde zur Gewinnung von Antikörpern in Kaninchen verwendet. Die Immunisierung wurde mit dem bei Harlowe und Lane (Lit: Ed Harlowe und David Lane, Antibodies, Cold Spring Harbor Laboratory, 1988) beschriebenen Standardverfahren durchgeführt. Das erhaltene Antiserum konnte direkt für Western blots (wie ebenfalls bei Harlowe und Lane beschrieben) eingesetzt werden, wo es spezifisch die Phospholipasebande markierte.

Beispiel 5

Entschleimung von Sojaöl

200 g naßentschleimtes Sojaöl mit einem Rest-Phosphatgehalt von 160 ppm wird in einem Rundkolben auf 40°C erwärmt. Dazu gibt man 10 g Wasser, in dem 20 mg Zitronensäure und 100 Units Phospholipase enthalten sind. Das Enzym stammt aus der Fermentation einer Aspergillus niger-Transformante, die das Phospholipase-Konstrukt enthält. Die Aktivitätsbestimmung erfolgt bei pH 3,5. Dazu werden 10 ml 1 %iges Phosphatidylcholin (Epikuron 200 von Lucas Meyer), das 0,5 ml 0,32 M CaCl2 enthält, mit 10 ml Triton X-100 Lösung und 5 ml 0,0033 M Zitronensäure-Monohydrat versetzt und 10 Minuten bei 40°C temperiert. 0,1 ml entsprechend verdünnter Enzymlösung werden zugegeben und 10 Minuten bei 40°C inkubiert. Mit 0,01 M KOH-Lösung wird auf pH 10 titriert. Der Blindwert (bei 95°C für 15 Minuten erhitzte Enzymlösung im Ansatz) wird abgezogen und die Berechnung gemäß Beispiel 3 vorgenommen.

Der Inhalt des Rundkolbens wird mittels einer externen Kreiselpumpe intensiv dispergiert. Dabei wird der Inhalt des Kolbens etwa einmal pro Minute durchgesetzt. Die Wasserphase liegt dabei in einer Teilchengröße von unter 1 μ . In Zeitabständen von zwei Stunden werden Proben genommen und auf Phosphorgehalt untersucht. Dabei ergaben sich folgende Werte:

- 22 -

Zeit in Stunden 0 2 4 6 8 Phosphorgehalt in ppm 160 24 12 7 3

Versuche, bei denen wie beschrieben verfahren wurde, aber anstelle des Enzympräparats eine entsprechende Menge Molkenprotein, also nichtenzymatisches Protein oder Lysophospholipase des Handels (G-Zyme von Enzyme Biosystems, USA, 1000 Lysophospholipase Units pro 200 ml Sojaöl) zugesetzt wurden, konnte der Phosphorgehalt nicht unter 80 ppm gesenkt werden.

Beispiel 6

Verbesserung der Teiggualität

Der folgende Backversuch wurde mit der erfindungsgemäßen Phospholipase durchqeführt. Aus 100 Gew. Tln. Mehl, 2 Gew. Tln. Salz, 3 Gew. Tln. Backhefe, 58 bis 60 Gew. Tln. Wasser und 40 bis 50 ppm Ascorbinsäure (bezogen auf das Teiggewicht) wurde in einem Spiralkneter (Fabrikat Kemper) 2 min auf niedriger Stufe 1 und 6 min auf höherer Stufe 2 ein Teig bereitet. Dem Wasser wurden vor Beginn des Knetvorgangs die Enzyme und anderen Zusätze zugegeben. Die Teigtemperatur betrug 23° bis 25°C. Nach einer Teigruhe von 20 min wurde der Teig zur Herstellung von freigeschobenem Weißbrot in 350 g-Stücke geteilt, geformt, 70 min bzw. 90 min bei 32°C und 80 % relativer Luftfeuchte gegart und 32 min bei 230°C gebacken. In der Tabelle 3 ist das Brotvolumen bei verschiedenen Enzymzusätzen angegeben. Die Backergebnisse zeigen, daß durch Zusatz von Phospholipase das Backvolumen und die Krumstruktur verbessert werden. Die stabilisierende Wirkung auf den Teig zeigt sich in den guten Backergebnissen bei verlängerter Garzeit (90 min).

Tabelle 3: Backversuche

Zusätze/ 100 kg Mehl	Backvolumen 70 min Gare	00	90 min Gare	ું •	Poren- struktur
ohne Zusatz	1000 ccm	100	1050 ccm	100	ungleich- mäßig
Pilzamylase 10000 SKB	1050 ccm	105	1130 ccm	107	ungleich- mäßig
Pilzamylase 10000 SKB + Phospholipase 2500 PLU	1100 ccm	110	1225 ccm	117	ungleich- mäßig
Pilzamylase 50000 SKB	1225 ccm	122	1275 ccm	121	ungleich- mäßig
Pilzamylase 50000 SKB + Phospholipase 12500 PLU	1275 ccm	128	1365 ccm	130	gleich- mäßig
Pilz-Xylanase	1325 ccm	133	1375 ccm	131	gleich- mäßig
Pilz-Xylanase 1200 UXYL + Phospholipase 12500 PLU	1375 ccm	138	1475 ccm	140	gleich- mäßig

SEQUENZPROTOKOLL

(1) ALLGEMEINE ANGABEN:

- (i) ANMELDER:
 - (A) NAME: ROEHM GMBH
 - (B) STRASSE: Kirschenallee
 - (C) ORT: Darmstadt
 - (E) LAND: Deutschland
 - (F) POSTLEITZAHL: 64293
 - (A) NAME: LOEFFLER, Fridolin
 - (B) STRASSE: Karl-Henkelmann-Weg 4
 - (C) ORT: Bensheim
 - (E) LAND: Deutschland
 - (F) POSTLEITZAHL: 64625
 - (A) NAME: JUNGSCHAFFER, Gerald
 - (B) STRASSE: Haehnleiner Strasse 1A
 - (C) ORT: Alsbach-Haehnlein
 - (E) LAND: Deutschland
 - (F) POSTLEITZAHL: 64665
 - (A) NAME: KHANH, Quoc Nguyen
 - (B) STRASSE: Am Tannenberg 9
 - (C) ORT: Reichelsheim
 - (E) LAND: Deutschland
 - (F) POSTLEITZAHL: 64385
 - (A) NAME: SCHUSTER, Erwin
 - (B) STRASSE: Darmstaedter Str. 237
 - (C) ORT: Bensheim-Auerbach
 - (E) LAND: Deutschland
 - (F) POSTLEITZAHL: 64625
 - (A) NAME: SPROESSLER, Bruno
 - (B) STRASSE: Auf der Schmelz 93
 - (C) ORT: Rossdorf
 - (E) LAND: Deutschland
 - (F) POSTLEITZAHL: 64380
 - (A) NAME: WOLF, Sabine
 - (B) STRASSE: Otzbergstrasse 44
 - (C) ORT: Otzberg
 - (E) LAND: Deutschland
 - (F) POSTLEITZAHL: 64853

WO 98/31790 PCT/EP98/00081

- 25 -

- (ii) BEZEICHNUNG DER ERFINDUNG: Protein mit Phospholipaseaktivitaet
- (iii) ANZAHL DER SEQUENZEN: 4
- (iv) COMPUTER-LESBARE FASSUNG:
 - (A) DATENTRÄGER: Floppy disk
 - (B) COMPUTER: IBM PC compatible
 - (C) BETRIEBSSYSTEM: PC-DOS/MS-DOS
 - (D) SOFTWARE: PatentIn Release #1.0, Version #1.30 (EPA)
- (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 1:
 - (i) SEQUENZKENNZEICHEN:
 - (A) LÄNGE: 1368 Basenpaare
 - (B) ART: Nucleotid
 - (C) STRANGFORM: Doppelstrang
 - (D) TOPOLOGIE: linear
 - (ii) ART DES MOLEKÜLS: Genom-DNA
 - (iii) HYPOTHETISCH: NEIN
 - (iv) ANTISENSE: NEIN
 - (ix) MERKMAL:
 - (A) NAME/SCHLÜSSEL: intron
 - (B) LAGE: 222..275
 - (ix) MERKMAL:
 - (A) NAME/SCHLÜSSEL: intron
 - (B) LAGE: 442..486
 - (ix) MERKMAL:
 - (A) NAME/SCHLÜSSEL: intron
 - (B) LAGE:824..874
 - (ix) MERKMAL:
 - (A) NAME/SCHLÜSSEL: CDS
 - (B) LAGE: join(140..221, 276..441, 487..823, 875..1180)

WO 98/31790 PCT/EP98/00081

- 26 -

(ix) MERKMAL:

GCC CTT GCT GCG CTG TGT GCT GAT ALA ALA ALA PRO THR PRO Leu ASP VAL ARG Leu Ala Ala Leu Cys Ala Ala Ala Pro Thr Pro Leu Asp Val Arg -15 GTAGGTGTGC CTGATTTGAA GTGGCTGGAT AGCACTGATG AAGGTTTTGA ATAG GT Ser 1 GTC TCG ACT TCC ACG TTG GAT GAG CTG CAA TTG TTC TCG CAA TGG TCT Val Ser Thr Ser Thr Leu Asp Glu Leu Gln Leu Phe Ser Gln Trp Ser 15 GCC GCA GCT TAT TGC TCG AAC AAT ATC GAC TCG GAC GAC TCT AAC GTG Ala Ala Ala Tyr Cys Ser Asn Asn Ile Asp Ser Asp Asp Ser Asn Val 20 ACA TGC ACG GCC GAC GCC TGT CCA TCA GTC GAG GAG GCG AGC ACC AAG Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys 40 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA ATG CTG CTG GAG AATA G ACA AAT AAC TTT GGA GGC ACA GCC GGT TTC CTG Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu 60 GCC GCG GAC AAC AAC AAC AAG CGG CTC GTG GTC GCC TTC CGA GGC AGT Ala Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser 70 ACC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT	(A) NAME/SCHLÜSSEL: mat_peptide (B) LAGE:2211180	
ATGGGGAATT GGGGTGGTA ATATGATACA GGTATAAAAG GGGGCTCGGA GGTGCAGTTG GATAGAAGCA TTGTGTGTGC ATTGCAGGAG TCCGTTGGTC TCACGTCTCT GGTTGCCTCG ATTGTATATA TACTGCAGG ATG TTC TCT GGA CGG TTT GGA GTG CTT TTG ACA Met Phe Ser Gly Arg Phe Gly Val Leu Leu Thr -27 -25 -20 GCG CTT GCT GCG CTG TGT GCT GCG GGA CCG ACA CCA CTT GAT GTG CGG A ALE Leu Ala Ala Leu Cys Ala Ala Ala Pro Thr Pro Leu Asp Val Arg -15 -10 -5 GTAGGTGTGC CTGATTTGAA GTGGCTGGAT AGCACTGATG AAGGTTTTGA ATAG GT GTC TCG ACT TCC ACG TTG GAT GAG CTG CAA TTG TTC TCG CAA TGG TCT Val Ser Thr Ser Thr Leu Asp Glu Leu Gln Leu Phe Ser Gln Trp Ser 10 GCC GCA GCT TAT TGC TCG AAC AAT ATC GAC TCG GAC GAC TCT AAC GTG Ala Ala Ala Tyr Cys Ser Asn Asn Ile Asp Ser Asp Asp Ser Asn Val 20 ACA TGC ACG GCC GAC GCC TGT CCA TCA GTC GAG GAG GCG ACC ACG Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys 40 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 471 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 472 ACG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 473 ACG CTG CTG GAG ACA AAT AAC TTT GGA GGC ACA GCC GGT TTC CTG Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu 50 GCC GCG GAC AAC ACC AAC AAG CGG CTC GTG GTC GCC TCC CAG GGC AGT ALA ASP ASN Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser ACC ACC ACC ACC ACC ACT GGT GCT GCT GTC CAA GAT ACC ACC ACC ACC ACC ACC GAT GCT GCT GTC CAA GAT ACC ACC ACC ACC ACC ACC GAT GCT GCT GTC CAA GAT ACC ACC ACC ACC ACC ACC GCT CTG GCT GTC CCA GCT GCT GCC ALA ACC ACC ACC ALA ACC ACC ACC ACC A	(A) NAME/SCHLÜSSEL: sig_peptide	
GATAGAAGCA TTGTGTGTGC ATTGCAGCAG TCCGTTGGTC TCACGTCTCT GGTTGCCTCG ATTGTATATA TACTGCAGG ATG TTC TCT GGA CGG TTT GGA GTG CTT TTG ACA Met Phe Ser Gly Arg Phe Gly Val Leu Leu Thr -27 -25 -20 GCG CTT GCT GCG CTG TGT GCT GCG GCA CCG ACA CCA CTT GAT GTG CGG A Ala Leu Ala Ala Leu Cys Ala Ala Ala Pro Thr Pro Leu Asp Val Arg -15 -5 GTAGGTGTGC CTGATTTGAA GTGGCTGGAT AGCACTGATG AAGGTTTTGA ATAG GTC TCG ACT TCC ACG TTG GAT GAG CTG CAA TTG TTC TCG CAA TGG TCT Val Ser Thr Ser Thr Leu Asp Glu Leu Gln Leu Phe Ser Gln Trp Ser 10 -15 GCC GCA GCT TAT TGC TCG AAC AAT ATC GAC TCG GAC GAC TCT AAC GTG Ala Ala Ala Tyr Cys Ser Asn Asn Ile Asp Ser Asp Asp Ser Asn Val 20 -25 ACA TCG ACG GCC GAC GCC TGT CCA TCA GTC GAG GAG ACC AAG Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys 40 -45 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 471 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 472 ACC GCG GAC AACA AAC AAC AAC AAC AAC CGG CTC GTG GTC GCC TCC CGA GGC AGC Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys 40 -50 CAGCTGATTG AATAG G ACA AAT AAC TTT GGA GGC ACA GCC GGT TTC CTG Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu 60 GCC GCG GAC AAC ACC AAC AAC CGC CTC GTG GTC GCC TCC CGA GGC AGT Ala	(xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 1:	
ATTGTATATA TACTGCAGG ATG TTC TCT GGA CGG TTT GGA GTG CTT TTG ACA Met Phe Ser Gly Arg Phe Gly Val Leu Leu Thr -27 -25 GCG CTT GCT GCG CTG TGT GCT GCG GCG GCA CCG ACA CCA CTT GAT GTG CGG A Ala Leu Ala Ala Leu Cys Ala Ala Ala Pro Thr Pro Leu Asp Val Arg -15 -10 GTAGGTGTGC CTGATTTGAA GTGGCTGGAT AGCACTGATG AAGGTTTTGA ATAG GT TCG ACT TCC ACG TTG GAT GAG CTG CAA TTG TTC TCG CAA TGG TCT Ser 1 GTC TCG ACT TCC ACG TTG GAT GAG CTG CAA TTG TTC TCG CAA TGG TCT Val Ser Thr Ser Thr Leu Asp Glu Leu Gln Leu Phe Ser Gln Trp Ser 15 GCC GCA GCT TAT TGC TCG AAC AAT ATC GAC TCG GAC GAC TCT AAC GTG Ala Ala Ala Tyr Cys Ser Asn Asn Ile Asp Ser Asp Asp Ser Asn Val 20 ACA TGC ACG GCC GAC GCC TGT CCA TCA GTC GAG GAG GCG AGC ACC AAG Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys 40 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT Met Leu Leu Glu Phe Asp Leu 50 CAGCTGATTG AATAG G ACA AAT AAC TTT GGA GGC ACA GCC GGT TTC CTG Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu 60 GCC GCG GAC AAC ACC AAC AAC GCG CTC GTG GTC GCC TTC CGA GGC AGT Ala Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser ACC ACC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT ALA Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser ACC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT ACC ACC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT ACC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT ACC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT	ATGGGGAATT GGGGTGGGTA ATATGATACA GGTATAAAAG GGGGCTCGGA GGTGCAGTTG	60
Met Phe Ser Gly Arg Phe Gly Val Leu Leu Thr -27 -25	GATAGAAGCA TTGTGTGTGC ATTGCAGCAG TCCGTTGGTC TCACGTCTCT GGTTGCCTCG	120
Ala Leu Ala Ala Leu Cys Ala Ala Pro Thr Pro Leu Asp Val Arg -15 -10 -5 GTAGGTGTGC CTGATTTGAA GTGGCTGGAT AGCACTGATG AAGGTTTTGA ATAG GT Ser 1 GTC TCG ACT TCC ACG TTG GAT GAG CTG CAA TTG TTC TCG CAA TGG TCT Val Ser Thr Ser Thr Leu Asp Glu Leu Gln Leu Phe Ser Gln Trp Ser 10 15 GCC GCA GCT TAT TGC TCG AAC AAT ATC GAC TCG GAC GAC TCT AAC GTG Ala Ala Ala Tyr Cys Ser Asn Asn Ile Asp Ser Asp Asp Ser Asn Val 20 25 ACA TGC ACG GCC GAC GCC TGT CCA TCA GTC GAG GAG GCG AGC ACC AAG Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys 35 40 45 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 471 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 471 CAGCTGATTG AATAG G ACA AAT AAC TTT GGA GGC ACA GCC GGT TTC CTG Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu 60 GCC GCG GAC AAC ACC AAC AAG CGG CTC GTG GTC GCC TTC CGA GGC AGT Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser 70 75 80	Met Phe Ser Gly Arg Phe Gly Val Leu Thr	17 2
GTAGGTGTGC CTGATTTGAA GTGGCTGGAT AGCACTGATG AND SET 1 GTC TCG ACT TCC ACG TTG GAT GAG CTG CAA TTG TTC TCG CAA TGG TCT Val Ser Thr Ser Thr Leu Asp Glu Leu Gln Leu Phe Ser Gln Trp Ser 10 GCC GCA GCT TAT TGC TCG AAC AAT ATC GAC TCG GAC GAC TCT AAC GTG Ala Ala Ala Tyr Cys Ser Asn Asn Ile Asp Ser Asp Asp Ser Asn Val 20 ACA TGC ACG GCC GAC GCC TGT CCA TCA GTC GAG GAG GCG AGC ACC AAG Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys 35 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 471 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 471 ACA TGC ACG GCC GAC ACC AAC AAC AAC TTT GGA GGC ACA GCC GGT TTC CTG Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu 60 GCC GCG GAC AAC ACC AAC AAC CGG CTC GTG GTC GCC TTC CGA GGC AGT ASN Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser 70 ACC ACC ACC ACC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT	Ala Leu Ala Ala Leu Cys Ala Ala Ala Pro Thr Pro Leu Asp val Arg	221
Val Ser Thr Ser Thr Leu Asp Glu Leu Gln Leu Phe Ser Gln Trp Ser 10 10 15 GCC GCA GCT TAT TGC TCG AAC AAT ATC GAC TCG GAC GAC TCT AAC GTG Ala Ala Ala Tyr Cys Ser Asn Asn Ile Asp Ser Asp Asp Ser Asn Val 20 25 30 ACA TGC ACG GCC GAC GCC TGT CCA TCA GTC GAG GAG GCG AGC ACC AAG Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys 45 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 471 Met Leu Leu Glu Phe Asp Leu 50 CAGCTGATTG AATAG G ACA AAT AAC TTT GGA GGC ACA GCC GGT TTC CTG Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu 60 GCC GCG GAC AAC ACC AAC AAG CGG CTC GTG GTC GCC TTC CGA GGC AGT Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser 70 AGC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT 610	Ser	277
Ala Ala Ala Tyr Cys Ser Asn Asn Ile Asp Ser Asp Asp Ser Asn Val 20 ACA TGC ACG GCC GAC GCC TGT CCA TCA GTC GAG GAG GCG AGC ACC AAG Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys 40 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA ATI ACG GCG GAC AATAG G ACA AAT AAC TTT GGA GGC ACA GCC GGT TTC CTG Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu 60 GCC GCG GAC AAC ACC AAC AAG CGG CTC GTG GTC GCC TTC CGA GGC AGT Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser 70 AGC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT 61	Val Ser Thr Ser Thr Leu Asp Glu Leu Gln Leu Phe Ser Gln Trp Ser	325
ACA TGC ACG GCC GAC GCC TGT CCA TCA TCA GTC GAG GAC ACG GCC TTC CTG Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys 40 ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGAACA 471 Met Leu Leu Glu Phe Asp Leu 50 CAGCTGATTG AATAG G ACA AAT AAC TTT GGA GGC ACA GCC GGT TTC CTG Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu 60 GCC GCG GAC AAC ACC AAC AAG CGG CTC GTG GTC GCC TTC CGA GGC AGT Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser 70 75 80 AGC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT 614	Ala Ala Ala Tyr Cys Ser Asn Asn Ile Asp Ser Asp Ser Asn Val	373
ATG CTG CTG GAG TTT GAC CT GTATGTTGCT CCAGTGAAAT GGATAGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGA	Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys	421
Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu 60 65 GCC GCG GAC AAC ACC AAC AAG CGG CTC GTG GTC GCC TTC CGA GGC AGT Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser 70 75 80 AGC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT 610	Met Leu Glu Phe Asp Leu	471
Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser 70 75 80 AGC ACC ATC AAG AAC TGG ATT GCT GAT CTC GAC TTC ATC CTG CAA GAT 61	Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu	520
ACC ACC ACC AAG AAC IGG AII GCI GAI CIC GAC IIC 1110 GIG GIG	Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Sel	568
85 90 95	Ser Thr Ile Lys Asn Trp Ile Ala Asp Leu Asp Phe Ile Leu Gin Asp	616

- 27 -

							-	- 21	_							
AAC Asn 100	GAT Asp	GAC Asp	CTC Leu	TG T Cys	ACT Thr 105	GGC Gly	TGC Cys	AAG Lys	GTT Val	CAC His 110	ACT Thr	GGA Gly	TTC Phe	TGG Trp	AAG Lys 115	664
GCA Ala	TGG Trp	GAA Glu	GCC Ala	GCT Ala 120	GCA Ala	GAC Asp	AAT Asn	CTG Leu	ACG Thr 125	AGC Ser	AAG Lys	ATC Ile	AAG Lys	TCC Ser 130	GCG Ala	712
ATG Met	AGC Ser	ACG Thr	TAT Tyr 135	TCG Ser	GGC Gly	TAT Tyr	ACC Thr	CTC Leu 140	TAC Tyr	TTC Phe	ACC Thr	GGG Gly	CAC His 145	AGC Ser	TTG Leu	760
GGC Gly	GGC Gly	GCA Ala 150	TTG Leu	GCT Ala	ACA Thr	CTG Leu	GGA Gly 155	GCA Ala	ACG Thr	GTC Val	TTG Leu	CGA Arg 160	AAT Asn	GAC Asp	GGT Gly	808
TAT Tyr	AGC Ser 165	GTT Val	GAA Glu	CTG Leu	GTG <i>I</i>	AGTGO	CTT (CAGA	GGT(GA TO	CATT	AAAC	A GC	CGGT	rctg	863
ACAC	STCA <i>l</i>	ATA	G TAC	C ACC	r Ty	r GGA	A TG	r cc:	r CGA	g Val	C GG.	A AAG y Asi	C TA' n Ty:	r GC0 r Ala 180	G CTG a Leu O	913
GCC Ala	GAG Glu	CAC His	ATC Ile 185	ACC Thr	AGC Ser	CAG Gln	GGA Gly	TCT Ser 190	GGA Gly	GCG Ala	AAC Asn	TTC Phe	CCT Pro 195	GTT Val	ACA Thr	961
CAC His	TTG Leu	AAC Asn 200	Asp	ATC Ile	GTC Val	CCC Pro	CGG Arg 205	GTG Val	CCA Pro	CCC Pro	ATG Met	GAC Asp 210	TTT Phe	GGA Gly	TTC Phe	1009
AGC Ser	CAG Gln 215	CCA Pro	AGT Ser	CCA Pro	GAA Glu	TAC Tyr 220	TGG Trp	ATC Ile	ACC Thr	AGT Ser	GGC Gly 225	Thr	GGA Gly	GCC Ala	AGT Ser	1057
GTC Val 230	Thr	GCG Ala	TCG Ser	GAT Asp	ATT Ile 235	GAA Glu	CTC Leu	ATC Ile	GAG Glu	GGA Gly 240	Ile	AAT Asn	TCG Ser	ACG Thr	GCG Ala 245	1105
GGG Gly	AAT Asn	GCA Ala	GGC Gly	GAA Glu 250	Ala	ACG Thr	GTG Val	GAC Asp	GTT Val 255	Leu	GCT Ala	' CAC His	TTG Leu	TGG Trp 260	TAC	1153
TTT Phe	TTC Phe	GCA Ala	ATT Ile 265	Ser	GAG Glu	TGT	CTC Leu	CTA Leu 270	l	CTTG	GAC	AGTC	CGAT	'GA		1200
FAA	AAGT	GCG	GAGA	GAAA	GT G	TAAA	TAGI	ra ar	TAAC	TATA	. TAT	CAGO	CAG	AGAA	GCAGTG	1260
GTG	GTCA	AGAG	AAGA	AAGA	GT G	AGTC	CCAT	T AC	GTAC	CAGA	TAF	ACCAC	GTG	TGGA	AGGCGCT	1320
GTT	CCTC	CAC	TTGC	AGTT	rgc G	GCCP	TCA	AT CA	TATI	CTTC	TCC	CTTAC	CT			1368

PCT/EP98/00081 WO 98/31790

- 28 -

(2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 2:

200

(i) SEQUENZKENNZEICHEN:

- (A) LÄNGE: 297 Aminosäuren
- (B) ART: Aminosäure
- (D) TOPOLOGIE: linear
- (ii) ART DES MOLEKÜLS: Protein

(xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 2: Met Phe Ser Gly Arg Phe Gly Val Leu Leu Thr Ala Leu Ala Ala Leu -20 Cys Ala Ala Ala Pro Thr Pro Leu Asp Val Arg Ser Val Ser Thr Ser -10Thr Leu Asp Glu Leu Gln Leu Phe Ser Gln Trp Ser Ala Ala Ala Tyr Cys Ser Asn Asn Ile Asp Ser Asp Ser Asn Val Thr Cys Thr Ala Asp Ala Cys Pro Ser Val Glu Glu Ala Ser Thr Lys Met Leu Leu Glu Phe Asp Leu Thr Asn Asn Phe Gly Gly Thr Ala Gly Phe Leu Ala Ala Asp Asn Thr Asn Lys Arg Leu Val Val Ala Phe Arg Gly Ser Ser Thr Ile Lys Asn Trp Ile Ala Asp Leu Asp Phe Ile Leu Gln Asp Asn Asp 95 Asp Leu Cys Thr Gly Cys Lys Val His Thr Gly Phe Trp Lys Ala Trp Glu Ala Ala Asp Asn Leu Thr Ser Lys Ile Lys Ser Ala Met Ser Thr Tyr Ser Gly Tyr Thr Leu Tyr Phe Thr Gly His Ser Leu Gly Gly 135 Ala Leu Ala Thr Leu Gly Ala Thr Val Leu Arg Asn Asp Gly Tyr Ser 160 155 Val Glu Leu Tyr Thr Tyr Gly Cys Pro Arg Val Gly Asn Tyr Ala Leu Ala Glu His Ile Thr Ser Gln Gly Ser Gly Ala Asn Phe Pro Val Thr His Leu Asn Asp Ile Val Pro Arg Val Pro Pro Met Asp Phe Gly Phe 205

WO 98/31790 PCT/EP98/00081

- 29 -

Ser Gln Pro Ser Pro Glu Tyr Trp Ile Thr Ser Gly Thr Gly Ala Ser 220

Val Thr Ala Ser Asp Ile Glu Leu Ile Glu Gly Ile Asn Ser Thr Ala 240 235

Gly Asn Ala Gly Glu Ala Thr Val Asp Val Leu Ala His Leu Trp Tyr 260

Phe Phe Ala Ile Ser Glu Cys Leu Leu

- (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 3:
 - (i) SEQUENZKENNZEICHEN:
 - (A) LÄNGE: 42 Basenpaare
 - (B) ART: Nucleotid
 - (C) STRANGFORM: Einzelstrang (D) TOPOLOGIE: linear
 - (ii) ART DES MOLEKÜLS: Genom-DNA
 - (iii) HYPOTHETISCH: NEIN
 - (iv) ANTISENSE: NEIN
- (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 3: GGAATTCACC TGCTAACCAT GTTCTCTGGA CGGTTTGGAG TG

42

- (2) ANGABEN ZU SEQ ID NO: 4:
 - (i) SEQUENZKENNZEICHEN:
 - (A) LÄNGE: 34 Basenpaare
 - (B) ART: Nucleotid
 - (C) STRANGFORM: Einzelstrang
 - (D) TOPOLOGIE: linear
 - (ii) ART DES MOLEKÜLS: Genom-DNA
 - (iii) HYPOTHETISCH: NEIN
 - (iv) ANTISENSE: NEIN
- (xi) SEQUENZBESCHREIBUNG: SEQ ID NO: 4: CGGGATCCAA GCTATAGCAG ACACTCTGAA ATTG

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROORCANISMEN! FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee 42 64293 Darmstadt

EMPFANGSBESTÄTIGUNG BEI ERSTHINTERLEGUNG, ausgesteilt gemaß Regel 7.1 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. KENNZEIC	I. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS						
Vom HINTER	, RLEGER zugeteiltes Bezugszeichen: 5	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 11283					
II. WISSENS	II. WISSENSCHAFTLICHE BESCHREIBUNG UND/ODER VORGESCHLAGENE TAXONOMISCHE BEZEICHNUNG						
Mit dem unter 1. bezeichneten Mikroorganismus wurde							
	() eine wissenschaftliche Beschreibung (X) eine vorgeschlagene taxonomische Bezeichnung						
eingereicht. (Zutretfendes	ankreuzen).						
III. EINGAN	G UND ANNAHME						
Diese interna Ersthinterlegi	ationale Hinterlegungsstelle nimmt den unter I bezeichneten Mikro ung) ¹ eingegangen ist.	organismus an. der bei ihr am 1996-11-11 (Datum der					
IV. EINGAN	NG DES ANTRAGS AUF UMWANDLUNG						
Der unter I bezeichnete Mikroorganismus ist bei dieser Internationalen Hinterlegungsstelle am eingegangen (Datum der Erst- hinterlegung) und ein Antrag auf Umwandlung dieser Ersthinterlegung in eine Hinterlegung gemaß Budapester Vertrag ist am eingegangen (Datum des Eingangs des Antrags auf Umwandlung).							
V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE							
Name:	DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle befügten Person(en) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten: Day war auch Zur					
		Datum: 1996-11-15					

Falls Regel 6.4 Buchstabe d zutrifft, ist dies der Zeitpunkt, zu dem der Status einer internationalen Hinterlegungsstelle erworben worden ist.

BUDAPESTER VERTRAG UBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROORGANISMEN FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHRE: I

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee 42

64293 Darmstadt

LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG ausgestellt gemaß Regel 10.2 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. HINTERLEGER	II. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS							
Name: Röhm GmbH Kirschenallee 42 Anschrift: 64293 Darmstadt	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 11283 Datum der Hinterlegung oder Weiterleitung!: 1996-11-11							
III. LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG	III. LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG							
Die Lebensfähigkeit des unter II genannten Mikroorganismus ist am 1996-11-12 gepruft worden. Zu diesem Zeitpunkt war der Mikroorganismus (X)' lebensfähig ()' nicht mehr lebensfähig								
IV. BEDINGUNGEN, UNTER DENEN DIE LEBENSFÄHIGKEITSPRUFUN	G DURCHGEFUHRT WORDEN IST							
v. internationale Hinterlegungsstelle								
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Anschrift: Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle befügten Person(en) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten: Dag Lee Lee Lee Lee Lee Lee Lee Lee Lee Le							

Angabe des Datums der Ersthinterlegung. Wenn eine erneute Hinterlegung oder eine Weiterleitung vorgenommen worden ist. Angabe des Datums der jeweils letzten erneuten Hinterlegung oder Weiterleitung.

In den in Regel 10.2 Buchstabe a Ziffer ii und iii vorgesehenen Fallen Angabe der tetzten Lebensfähigkeitsprutung. Zutreffendes ankreuzen.

Ausfüllen, wenn die Angaben beantragt worden sind und wenn die Ergebnisse der Prüfung negativ waren.

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROORGANISMEN FUR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee 42 64293 Darmstadt

EMPFANGSBESTÄTIGUNG BEI ERSTHINTERLEGUNG, ausgestellt gemaß Regel 7.1 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS	I. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS						
Vom HINTERLEGER zugeteiltes Bezugszeichen: RH 3886	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugewilte EINGANGSNUMMER: DSM 11284						
II. WISSENSCHAFTLICHE BESCHREIBUNG UND/ODER VORGESCHI	AGENE TAXONOMISCHE BEZEICHNUNG						
Mit dem unter I. bezeichneten Mikroorganismus wurde							
 () eine wissenschaftliche Beschreibung (X) eine vorgeschlagene taxonomische Bezeichnung 							
eingereicht. (Zutrettendes ankreuzen).	eingereicht.						
III. EINGANG UND ANNAHME							
Diese internationale Hinterlegungsstelle nimmt den unter I bezeichneten Mik Ersthinterlegung) ¹ eingegangen ist.	roorganismus an. der bei ihr am 1996-11-11 (Datum der						
IV. EINGANG DES ANTRAGS AUF UMWANDLUNG							
Der unter I bezeichnete Mikroorganismus ist bei dieser Internationalen Hinterlegungsstelle am eingegangen (Datum der Ersthinterlegung) und ein Antrag auf Umwandlung dieser Ersthinterlegung in eine Hinterlegung gemaß Budapester Vertrag ist am eingegangen (Datum des Eingangs des Antrags auf Umwandlung).							
V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE							
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegtingsstell befügten Personien) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten:							
Anschrift: Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig Datum: 1996-11-15							

Formblatt DSMZ-BP/4 (einzige Seite) 0196

¹ Falls Regel 6.4 Buchstäbe d zutrifft, ist dies der Zeitpunkt, zu dem der Status einer internationalen Hinterlegungsstelle erworden ist.

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROOP.GANISMEN FUR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee 42

64293 Darmstadt

LEBENSFÄHIGKEITSBESCHEINIGUNG ausgestellt gemaß Regel 10.2 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

1. HINTERLEGER	II. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS
Name: Röhm GmbH Kirschenallee 42 Anschrift: 64293 Darmstadt	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 11284 Datum der Hinterlegung oder Weiterleitung': 1996-11-11
III. LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG	
Die Lebensfähigkeit des unter II genannten Mikroorganismus ist am 1996-11-12 gepruft worden. Zu diesem Zeitpunkt war der Mikroorganismus (X) lebensfähig () nicht mehr lebensfähig	
IV. BEDINGUNGEN, UNTER DENEN DIE LEBENSFAHIGKEITSPRUFUNG DURCHGEFUHRT WORDEN IST	
V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE	
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Anschrift: Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle befügten Person(en) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten: Daycum Tan Datum: 1996-11-15

Angabe des Datums der Ersthinterlegung. Wenn eine erneute Hinterlegung oder eine Weiterleitung vorgenommen worden ist. Angabe des Datums der jeweils letzten erneuten Hinterlegung oder Weiterleitung.

In den in Regel 10.2 Buchstabe a Ziffer if und iff vorgesehenen Fallen Angabe der letzten Lebenstähigkeitsprufung.

Zutreffendes ankreuzen.

Ausfüllen, wenn die Angaben beantragt worden sind und wenn die Ergebnisse der Prüfung negativ waren.

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROORGANISMEN FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee

64293 Darmstadt

EMPFANGSBESTÄTIGUNG BEI ERSTHINTERLEGUNG, ausgestellt gemäß Regel 7.1 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS	
Vom HINTERLEGER zugeteiltes Bezugszeichen: RH 3046	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 10652
II. WISSENSCHAFTLICHE BESCHREIBUNG UND/ODER VORGESCH	ILAGENE TAXONOMISCHE BEZEICHNUNG
Mit dem unter I. bezeichneten Mikroorganismus wurde	
() eine wissenschaftliche Beschreibung (X) eine vorgeschlagene taxonomische Bezeichnung	
eingereicht. (Zutretfendes ankreuzen).	
III. EINGANG UND ANNAHME	
Diese internationale Hinterlegungsstelle nimmt den unter I bezeichneten Mi Ersthinterlegung) eingegangen ist.	kroorganismus an, der bei ihr am 1996-04-24 (Datum der
IV. EINGANG DES ANTRAGS AUF UMWANDLUNG	
Der unter I bezeichnete Mikroorganismus ist bei dieser Internationalen Hint hinterlegung) und ein Antrag auf Umwandlung dieser Ersthinterlegung in e eingegangen (Datum des Eingangs des Antrags auf Umwandlung).	erlegungsstelle am eingegangen (Datum der Erst- ine Hinterlegung gemaß Budapester Vertrag ist am
V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE	
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Anschrift: Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle befügten Personten) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten: Datum: 1996-04-26

Formblatt DSMZ-BP/4 (einzige Seite) 0196

Falls Regel 6.4 Buchstabe d zutrifft, ist dies der Zeitpunkt, zu dem der Status einer internationalen Hinterlegungsstelle erworben worden ist.

BUDAPESTER VERTRAG UBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKCOORGANISMEN FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee

64293 Darmstadt

LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG ausgesteilt gemaß Regel 10.2 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. HINTERLEGER	II. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS
Name: Röhm GmbH Kirschenallee Anschrift: 64293 Darmstadt	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 10652 Datum der Hinterlegung oder Weiterleitung!: 1996-04-24
III. LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG	
Die Lebensfähigkeit des unter II genannten Mikroorganismus ist am 1996 Zu diesem Zeitpunkt war der Mikroorganismus (X)' lebensfähig ()' nicht mehr lebensfähig	-04-24 gepruft worden.
IV. BEDINGUNGEN, UNTER DENEN DIE LEBENSFAHIGKEITSPRÜFUNG	G DURCHGEFUHRT WORDEN IST
V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE	
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Anschrift: Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstell befügten Person(en) oder des (der) von ihr ennachtigten Bediensteten: Datum: 1996-04-26
turning the December of the Control	

Angabe des Datums der Ersthinterlegung. Wenn eine erneute Hinterlegung oder eine Weiterleitung vorgenommen worden ist, Angabe des Datum der jeweils letzten erneuten Hinterlegung oder Weiterleitung.

In den in Regel 10.2 Buchstabe a Ziffer ii und iii vorgesehenen Fallen Angabe der letzten Lebenstähigkeitsprufung

Zutreffendes ankreuzen.

Ausfüllen, wenn die Angaben beantragt worden sind und wenn die Ergebnisse der Prutung negativ waren.

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROORGANISMER FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee

64293 Darmstadt

EMPFANGSBESTATIGUNG BEI ERSTHINTERLEGUNG, ausgestellt gemaß Regel 7.1 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS	
Vom HINTERLEGER zugeteiltes Bezugszeichen: pKC3	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 10653
II. WISSENSCHAFTLICHE BESCHREIBUNG UND/ODER VORGESCHL/	GENE TAXONOMISCHE BEZEICHNUNG
Mit dem unter I. bezeichneten Mikroorganismus wurde	
 (X) eine wissenschaftliche Beschreibung (X) eine vorgeschlagene taxonomische Bezeichnung 	
eingereicht (Zutreffendes ankreuzen)	
III. EINGANG UND ANNAHME	
Diese internationale Hinterlegungsstelle nimmt den unter 1 bezeichneten Mikre Ersthinterlegung) ¹ eingegangen ist.	porganismus an, der bei ihr am 1996-04-24 (Datum der
IV. EINGANG DES ANTRAGS AUF UMWANDLUNG	
Der unter I bezeichnete Mikroorganismus ist bei dieser Internationalen Hinter hinterlegung) und ein Antrag auf Umwandlung dieser Ersthinterlegung in eine eingegangen (Datum des Eingangs des Antrags auf Umwandlung).	legungsstelle am eingegangen (Datum der Erst- Hinterlegung gemaß Budapester Vertrag ist am
V INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE	
Name DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH	Unterschrift(en) der zur Vertrettung der internationalen Hinterlegungsstelle befügten Personten) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten:
Anschrift Mascheroder Weg 1b D-58124 Braunschweig	Datum 1996-14-26

^{*} Falls Renel 6.4 Buehstabe d zutrifft, ist dies der Zeitpunkt, zu dem der Status einer internationalen Hinterlegungsstelle erworben worden ist

BUDAPESTER VERTRAG UBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROOPGAN!SMEN FUR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee

64293 Darmstadt

LEBENSFÄHIGKEITSBESCHEINIGUNG ausgestellt gemaß Regel 10.2 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

1. HINTERLEGER	II. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS		
Name: Röhm GmbH Kirschenallee Anschrift: 64293 Darmstadt	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 10653 Datum der Hinterlegung oder Weiterleitung!: 1996-04-24		
III. LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG			
Die Lebenstähigkeit des unter II genannten Mikroorganismus ist am 1996 Zu diesem Zeitpunkt war der Mikroorganismus (X)' lebenstähig ()' nicht mehr lebenstähig	-04-24 geprutt worden		
IV. BEDINGUNGEN, UNTER DENEN DIE LEBENSFAHIGKEITSPRUFUNG	G DURCHGEFUHRT WORDEN IST		
V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE	•		
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Anschrift: Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle befugten Person(en) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten: Datum: 1996-04-26		

Angabe des Datums der Ersthinterlegung. Wenn eine erneute Hinterlegung oder eine Weiterleitung vorgenommen worden ist. Angabe des Datumder jeweils letzten erneuten Hinterlegung oder Weiterleitung.

In den in Regel 10.2 Buchstabe a Ziffer is und itt vorgesehenen Fallen Angabe der letzten Lebensfähigkensprutung

Zutreffendes ankreuzen

Ausfüllen, wenn die Angaben beautragt worden sind und wenn die Ergebnisse der Prufung negativ waren

BUDAPESTER VERTRAG UBER DIE INTERNATIONAL ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROORGANISMEN FUR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHKEN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee

64293 Darmstadt

EMPFANGSBESTATIGUNG BEI ERSTHINTERLEGUNG. ausgestellt gemaß Regel 7.1 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS Vom HINTERLEGER zugeteiltes Bezugszeichen: Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: pKC9 DSM 10654 II. WISSENSCHAFTLICHE BESCHREIBUNG UND/ODER VORGESCHLAGENE TAXONOMISCHE BEZEICHNUNG Mit dem unter I. bezeichneten Mikroorganismus wurde (X) eine wissenschattliche Beschreibung (X) eine vorgeschlagene taxonomische Bezeichnung eingereicht (Zutrettendes ankreuzen) III. EINGANG UND ANNAHME Diese internationale Hinterlegungsstelle nimmt den unter I bezeichneten Mikroorganismus an, der bei ihr am 1996-04-24 (Datum der Ersthinterlegung)' eingegangen ist. IV. EINGANG DES ANTRAGS AUF UMWANDLUNG Der unter I bezeichnete Mikroorganismus ist bei dieser Internationalen Hinterlegungsstelle am eingegangen (Datum der Ersthinterlegung) und ein Anirag auf Umwandlung dieser Ersthinterlegung in eine Hinterlegung gemaß Budapester Vertrag ist am eingegangen (Datum des Eingangs des Antrags auf Umwandlung) V INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE Name DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Limterlegungsstelle MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GIIBH befugten Personten) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten Anschrift: Mascheroder Weg 16 V. Weiter D-38124 Braunsenweig Datum. 1396-04-26

^{1.} Falls Regel 6.4 Buchstage dizutritt, ist dies der Zeitpunkt, zu dem der Status einer internationalen Hinterlegungsstelle erworben worden ist

BUDAPESTER VERTRAG UBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROORGANISMEN FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee

64293 Darmstadt

LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG ausgestellt gemäß Regel 10.2 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

1. HINTERLEGER	II. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS
Name: Röhm GmbH Kirschenallee Anschrift 64293 Darmstadt	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 10654 Datum der Hinterlegung oder Weiterleitung!: 1996-04-24
III. LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG	
Die Lebenstähigkeit des unter II genannten Mikroorganismus ist am 1996 Zu diesem Zeitpunkt war der Mikroorganismus (X) ¹ lebensfähig () ² nicht mehr lebenstähig	- 04 - 24 ' gepruft worden.
IV BEDINGUNGEN, UNTER DENEN DIE LEBENSFAHIGKEITSPRUFUNG	D DURCHGEFUHRT WORDEN IST*
-	
V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE	
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Anschrift: Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle befügten Person(en) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten: Datum: 1396-04-26
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	

Angabe des Datums der Ersthinterlegung. Wenn eine erneute Hinterlegung eder eine Weiterleitung vorgenommen worden ist, Angabe des Datums der jeweils letzten erneuten Hinterlegung oder Weiterleitung.

In den in Regel 10.2 Buchstabe a Ziffer ii und iii vorgeschenen Fällen Angabe der tetzten Lebensfähigkeitsprufung.

Zutreffendes ankreuzen.

Ausfüllen, wenn die Angaben beantragt worden sind und wenn die Ergebnisse der Prufung negativ waren.

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROORGANISMEN FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee

64293 Darmstadt

EMPFANGSBESTÄTIGUNG BEI ERSTHINTERLEGUNG, ausgestellt gemaß Regel 7.1 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

1. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS		
Vom HINTERLEGER zugeteiltes Bezugszeichen: pKC12	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 10655	
II. WISSENSCHAFTLICHE BESCHREIBUNG UND/ODER VORGESCHL	AGENE TAXONOMISCHE BEZEICHNUNG	
Mit dem unter I. bezeichneten Mikroorganismus wurde		
(X) cine wissenschaftliche Beschreibung (X) eine vorgeschlagene taxonomische Bezeichnung		
cingereicht (Zutreffendes ankreuzen).		
III. EINGANG UND ANNAHME		
Diese internationale Hinterlegungsstelle nimmt den unter I bezeichneten Mikr Ersthinterlegung) eingegangen ist.	oorganismys an, der bei ihr am 1996–04–24 (Datum der	
IV. EINGANG DES ANTRAGS AUF UMWANDLUNG		
Der unter I bezeichnete Mikroorganismus ist bei dieser Internationalen Hinter hinterlegung) und ein Antrag auf Umwandlung dieser Ersthinterlegung in eine eingegangen (Datum des Eingangs des Antrags auf Umwandlung).	legungsstelle am – eingegangen (Datum der Erst- Erfinterlegung gemaß Budapester Vertrag ist am	
V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE		
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Anschritt Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle befügten Person(en) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten:	
	Datum: 1996-04-26	

Falls Regel 6.4 Buchstabe d zutrifft, ist dies der Zeitpunkt, zu dem der Status einer internationalen Hinterlegungsstelle erworben worden ist Formblatt DSMZ-BP/4 (cinzige Seite) 0196

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKDOORGANISMEN FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAMREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee

64293 Darmstadt

LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG ausgestellt gemaß Regel 10.2 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. HINTERLEGER	II. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS
Name: Röhm GmbH Kirschenallee Anschrift: 64293 Darmstadt	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 10655 Datum der Hinterlegung oder Weiterleitung!: 1996-04-24
III. LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG	
Die Lebensfähigkeit des unter II genannten Mikroorganismus ist am 1996 Zu diesem Zeitpunkt war der Mikroorganismus (X)' lebensfähig ()' nicht mehr lebensfähig	- 04 - 24 ² geprüft worden.
IV. BEDINGUNGEN, UNTER DENEN DIE LEBENSFAHIGKEITSPRÜFUNG	D DURCHGEFÜHRT WORDEN IST
V INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE	
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle befügten Person(en) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten:
Anschrift: Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Datum: 1996-04-26

Zutreffendes ankreuzen.

Angabe des Datums der Ersthinterlegung. Wenn eine erneute Hinterlegung oder eine Weiterleitung vorgenommen worden ist. Angabe des Datum der jeweils letzten erneuten Hinterlegung oder Weiterleitung.

In den in Regel 10.2 Buchstabe a Ziffer ii und iii vorgeschenen Fallen Angabe der letzten Lebenstähigkeitsprufung

Ausfüllen, wenn die Angaben beantragt worden sind und wenn die Ergebnisse der Prüfung negativ waren.

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKRCORGANISMEN FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee 42

64293 Darmstadt

EMPFANGSBESTATIGUNG BEI ERSTHINTERLEGUNG. ausgesteilt gemäß Regel 7.1 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS Vom HINTERLEGER zugeteiltes Bezugszeichen: Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: pKCN2 DSM 11352 II. WISSENSCHAFTLICHE BESCHREIBUNG UND/ODER VORGESCHLAGENE TAXONOMISCHE BEZEICHNUNG Mit dem unter I. bezeichneten Mikroorganismus wurde (X) eine wissenschaftliche Beschreibung (X) eine vorgeschlagene taxonomische Bezeichnung eingereicht. (Zutrettendes ankreuzen). III. EINGANG UND ANNAHME Diese internationale Hinterlegungsstelle nimmt den unter I bezeichneten Mikroorganismus an. der bei ihr am 1996-12-23 (Datum der Ersthinterlegung) eingegangen ist. IV. EINGANG DES ANTRAGS AUF UMWANDLUNG Der unter I bezeichnete Mikroorganismus ist bei dieser Internationalen Hinterlegungsstelle am eingegangen (Datum der Ersthinterlegung) und ein Antrag auf Umwandlung dieser Ersthinterlegung in eine Hinterlegung gemaß Budapester Vertrag ist am eingegangen (Datum des Eingangs des Antrags auf Umwandlung). V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON Name: Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH befügten Person(en) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten: Anschrift: Mascheroder Weg 1b V. Wates D-38124 Braunschweig Datum: 1997-01-09

Falls Regel 6.4 Buchstabe d zutrifft, ist dies der Zeitpunkt, zu dem der Status einer internationalen Hinterlegungsstelle erworben worden ist.

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROORGANISMEN FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHKEN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee 42

64293 Darmstadt

LEBENSFÄHIGKEITSBESCHEINIGUNG ausgesteilt gemäß Regel 10.2 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. HINTERLEGER	II. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS
Name: Röhm GmbH Kirschenallee 42 Anschrift: 64293 Darmstadt	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 11352 Datum der Hinterlegung oder Weiterleitung: 1996-12-23
III. LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG	
Die Lebenstähigkeit des unter II genannten Mikroorganismus ist am 19 Zu diesem Zeitpunkt war der Mikroorganismus (X) lebenstähig () nicht mehr lebensfähig IV. BEDINGUNGEN. UNTER DENEN DIE LEBENSFAHIGKEITSPRÜ	
	•
V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE	
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Anschrift: Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle befügten Person(en) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten: Datum: 1997-01-09

Angabe des Datums der Ersthinterlegung. Wenn eine erneute Hinterlegung oder eine Weiterleitung vorgenommen worden ist. Angabe des Datums der jeweils letzten erneuten Hinterlegung oder Weiterleitung.

In den in Regel 10.2 Buchstabe a Ziffer ii und iii vorgeschenen Fällen Angabe der letzten Lebenstähigkeitsprutung.

Zutrettendes ankreuzen.

Ausfüllen, wenn die Angaben beautragt worden sind und wenn die Ergebnisse der Prüfung negativ waren.

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKRCORGANISMEN FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee 42

64293 Darmstadt

EMPFANGSBESTÄTIGUNG BEI ERSTHINTERLEGUNG, ausgestellt gemaß Regel 7.1 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

I. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS					
Vom HINTERLEGER zugeteiltes Bezugszeichen: RH 3909	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 11353				
II. WISSENSCHAFTLICHE BESCHREIBUNG UND/ODER VORGESCHLAGENE TAXONOMISCHE BEZEICHNUNG					
Mit dem unter i. bezeichneten Mikroorganismus wurde					
() eine wissenschaftliche Beschreibung (X) eine vorgeschlagene taxonomische Bezeichnung					
eingereicht. (Zutretfendes ankreuzen).					
III. EINGANG UND ANNAHME					
Diese internationale Hinterlegungsstelle nimmt den unter I bezeichneten Mikroorganismus an. der bei ihr am 1996-12-23 (Datum der Ersthinterlegung) eingegangen ist.					
IV. EINGANG DES ANTRAGS AUF UMWANDLUNG					
Der unter i bezeichnete Mikroorganismus ist bei dieser Internationalen Hinterl hinterlegung) und ein Antrag auf Umwandlung dieser Ersthinterlegung in eine eingegangen (Datum des Eingangs des Antrags auf Umwandlung).					
V. INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE					
Name: DSMZ-DEUTSCHE SAMMLUNG VON MIKROORGANISMEN UND ZELLKULTUREN GmbH Anschrift: Mascheroder Weg 1b D-38124 Braunschweig	Unterschrift(en) der zur Vertretung der internationalen Hinterlegungsstelle befugten Person(en) oder des (der) von ihr ermachtigten Bediensteten: Datum: 1997-01-09				

Falls Regel 6.4 Buchstabe d zutrifft, ist dies der Zeitpunkt, zu dem der Status einer internationalen Hinterlegungsstelle erworben worden ist.

BUDAPESTER VERTRAG ÜBER DIE INTERNATIONALE ANERKENNUNG DER HINTERLEGUNG VON MIKROORGANISMEN FÜR DIE ZWECKE VON PATENTVERFAHREN

INTERNATIONALES FORMBLATT

Röhm GmbH Kirschenallee 42

64293 Darmstadt

LEBENSFÄHIGKEITSBESCHEINIGUNG ausgestellt gemäß Regel 10.2 von der unten angegebenen INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE

	II. KENNZEICHNUNG DES MIKROORGANISMUS			
Name: Röhm GmbH Kirschenallee 42 Anschrift: 64293 Darmstadt	Von der INTERNATIONALEN HINTERLEGUNGSSTELLE zugeteilte EINGANGSNUMMER: DSM 11353 Datum der Hinterlegung oder Weiterleitung!: 1996-12-23			
III. LEBENSFAHIGKEITSBESCHEINIGUNG				
Die Lebenstähigkeit des unter II genannten Mikroorganismus ist am Zu diesem Zeitpunkt war der Mikroorganismus (X)' lebensfähig ()' nicht mehr lebensfähig IV. BEDINGUNGEN, UNTER DENEN DIE LEBENSFAHIGKEITSPRUFU				
V INTERNATIONALE HINTERLEGUNGSSTELLE				

Angabe des Datums der Ersthinterlegung. Wenn eine erneute Hinterlegung oder eine Weiterleitung vorgenommen worden ist. Angabe des Datums der jeweils letzten erneuten Hinterlegung oder Weiterleitung.

In den in Regel 10.2 Buchstabe a Ziffer ii und iii vorgeschenen Fällen Angabe der letzten Lebensfähigkeitsprüfung.

Zutretfendes ankreuzen.

Ausfüllen, wenn die Angaben beantragt worden sind und wenn die Ergebnisse der Prüfung negativ waren.

Patentansprüche

- 1. Protein mit Phospholipaseaktivität dadurch ge-ken nzeich net, daß es die reife Sequenz der Aspergillus-Lysophospholipase oder eine davon abgeleitete Sequenz besitzt und an mindestens einer Stelle gespalten sein kann, wobei im Falle einer Spaltung die Spaltstücke entweder über mindestens eine unter reduzierenden Bedingungen spaltbare Bindung verknüpft sind, oder von den unverknüpften Spaltstücken mindestens eines Phospholipaseaktivität besitzt.
- 2. Protein nach Anspruch 1, dadurch gekenn-zeich net, daß es an mindestens einer Stelle gespalten ist und die Spaltstücke entweder über mindestens eine unter reduzierenden Bedingungen spaltbare Bindung verknüpft sind, oder von den unverknüpften Spaltstücken mindestens eines Phospholipaseaktivität besitzt.
- 3. Protein nach einem der Ansprüche 1 oder 2, dadurch geken nzeich net, daß die Sequenz mit Phospholipaseaktivität zu der analogen Sequenz der Aspergillus-Lysophospholipase zu mindestens 80% homolog ist.
- 4. Protein nach einem der Ansprüche 1, 2 oder 3, dadurch gekennzeich ich net, daß es die reife Sequenz der Aspergillus foetidus-Lysophospholipase oder eine davon abgeleitete Sequenz besitzt und die Spaltstelle sich zwischen Position 44 und 45 der Aminosäuresequenz befindet.
- 5. Protein nach einem der Ansprüche 1 bis 4, dadurch ge-kennzeich hnet, daß es aus Aspergillus-Kulturen isolierbar ist.

- 6. Protein nach Anspruch 5, dadurch gekennzeichnet, daß es aus Kulturen von A. foetidus, A. niger oder A. oryzae isolierbar ist.
- 7. Protein mit Phospholipaseaktivität, dadurch geken nzeich net, daß es von einem Antikörper gegen gereinigte Phospholipase aus $Aspergillus\ foetidus\ RH\ 3046\ erkannt\ wird.$
- 8. Verfahren zur Produktion eines Proteins mit Phospholipaseaktivität nach Anspruch 1 durch Fermentation eines in geeigneter Weise transformierten Lysophospholipase produzierenden Wirtsorganismus in einem geeigneten Kulturmedium und Isolierung des Proteins mit Phospholipaseaktivität aus dem zellfreien Kulturfiltrat, dadurch gekennzeich net, daß man die Fermentation im sauren bis leicht alkalischen Bereich durchführt.
- 9. Verfahren nach Anspruch 8, dadurch gekennzeichnet, daß man die Fermentation bei einem pH-Wert von 2 bis 9, bevorzugt 3 bis 8, durchführt.
- 10. Verfahren nach Anspruch 8 oder 9, dadurch ge-ken nzeich net, daß als transformierter Wirtsorganismus ein Aspergillus-Stamm oder ein Trichoderma-Stamm verwendet wird.
- 11. Verfahren nach Anspruch 10, dadurch gekennzeichnet, daß als transformierter Wirtsorganismus
 Aspergillus foetidus oder Aspergillus oryzae verwendet wird.
- 12. Verwendung eines Proteins nach einem der Ansprüche 1 bis 7 zur Entschleimung von pflanzlichem Öl.

-48-

13. Verwendung eines Proteins nach einem der Ansprüche 1 bis 7 als Backhilfsmittel.

FIGUR 1: Prozessierung des Lysophospholipasegens aus Aspergillus und Erhalt der Phospholipase

LPL					
SVSTS		EASTTMLLF			•••••
ا <u>-</u> ک	. гs		 	SH	
"leichte" Ket		"schwere		•	
- im SDS-Gel	mit und ohne	Reduktion: ca. 30	5 kDa		
- nur eine Se	equenz				
PL: ohne R	eduktion				
SVSTS					
EASTTMLLE	F				
	,	"leichte" Ke	tte		
5-6)-\s		Stt		
7			1	"schwere " Kette	
- im SDS-G∈	el mit Reduktio	n ca. 30 kDa und	ohne Re	eduktion: ca. 36 kDa	
- Doppelsec	quenz, Verhälti	nis 1:1			
PL mit Re	duktion				
EASTTMLLE	ΞF				
	1	"leichte" K	ette .		
\$4 \$1	\$H \$H		SH		
	<u> </u>			"schwere " Kette	

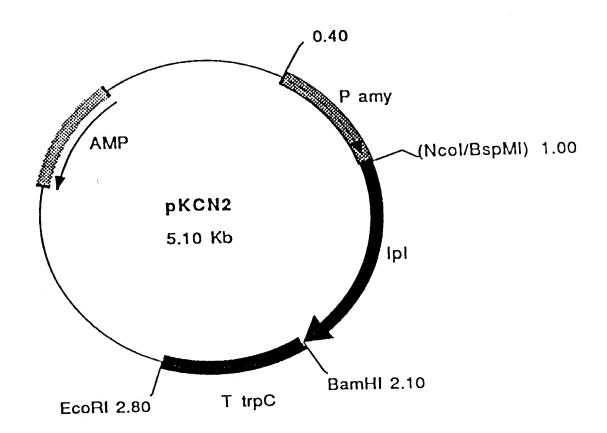
- im SDS-Gel ca. 30 kDa, leichte Kette läuft mit der Front daher nicht nachweisbar
- nur eine Sequenz

Summe ca. 36 kDa

[&]quot;schwere " Kette ca. 30 kDa

[&]quot;leichte" Kette ca. 6 kDa

FIGUR 2: Konstruktion des Plasmids pKCN2



INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Inte onal Application No PCT/EP 98/00081

	FICATION OF SUBJECT MATTER C12N9/16 C12N9/18 C12N1/15	C12P21/02	C11B3/00
			e.
	o International Patent Classification (IPC) or to both national classificat	ion and IPC	
	SEARCHED cumentation searched (classification system followed by classification	a symbols)	
IPC 6	C12N C12P C11B	, oy.,,,,,,,	
Documentat	tion searched other than minimum documentation to the extent that su	ch documents are included in the	fields searched
Electronic d	ata base consulted during the international search (name of data bas	e and, where practical, search ter	rms used)
C. DOCUM	ENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category	Citation of document, with indication, where appropriate, of the rele	vant passages	Relevant to claim No.
Ρ,Χ	X EP 0 808 903 A (ROEHM GMBH) 26 November 1997		1-11
	see the whole document		
P,X	;METALLGESELLSCHAFT AG (DE); LOEFFLER		12
	FRIDOLIN (DE); PL) 13 February 19 see the whole document	97	
X	EP 0 575 133 A (SANKYO CO) 22 December		1-7,12, 13
Υ	1993 see the whole document		8-11
Υ	WO 95 22615 A (NOVONORDISK AS ;SV		8-11
	ALLAN (DK); CLAUSEN IB GROTH (DK) 24 August 1995	; URRELS)	
	see the whole document		
Furt	lher documents are listed in the continuation of box C.	X Patent family members	are listed in annex.
° Special ca	ategories of cited documents :	"T" later document published after	
	ent defining the general state of the art which is not dered to be of particular relevance		onflict with the application but ciple or theory underlying the
filing	document but published on or after the international date ent which may throw doubts on priority claim(s) or		ance; the claimed invention For cannot be considered to hen the document is taken alone
which citatio	nis cited to establish the publication date of another on or other special reason (as specified)	"Y" document of particular relevations cannot be considered to inv	ance; the claimed invention rolve an inventive step when the
other	nent referring to an oral disclosure, use, exhibition or means lent published prior to the international filing date but		one or more other such docu- eing obvious to a person skilled
later t	than the priority date claimed actual completion of theinternational search	"&" document member of the sar Date of mailing of the interna	
	5 May 1998	25/05/1998	
	mailing address of the ISA	Authorized officer	
	European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk		
		Hillenbrand,	G

1

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Information on patent family members

Inti ional Application No PCT/EP 98/00081

Patent document cited in search report		Publication date		Patent family member(s)	Publication date
EP 0808903	A	26-11-1997	DE AU CA	19620649 A 1997697 A 2205411 A	27-11-1997 27-11-1997 22-11-1997
WO 9705219	Α	13-02-1997	DE	19527274 A	30-01-1997
EP 0575133 ·	A .	22-12-1993	AU CA FI IL JP NZ US US US	667217 B 4130893 A 2098421 A 932758 A 106033 A 7031472 A 247891 A 5378623 A 5538874 A 5521080 A	14-03-1996 23-12-1993 17-12-1993 17-12-1993 04-01-1998 03-02-1995 26-10-1994 03-01-1995 23-07-1996 28-05-1996 08-03-1994
WO 9522615	Α	24-08-1995	AU CA EP FI JP	1806795 A 2183431 A 0746618 A 963266 A 9509058 T	04-09-1995 24-08-1995 11-12-1996 21-08-1996 16-09-1997

INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

Inte ionales Aktenzeichen
PCT/EP 98/00081

A. KLASSII IPK 6	FIZIERUNG DES ANMELDUNGSGEGENSTANDES C12N9/16 C12N9/18 C12N1/15	C12P21/02 C11B3	3/00						
Nach dar int	tornationalan Ratentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen Klass	sifikation und der IPK	-**						
Nach der Internationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen Klassifikation und der IPK B. RECHERCHIERTE GEBIETE									
Recherchier IPK 6	ter Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssymbol ${\tt C12N-C12P-C11B}$.	e)							
	rte aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen, sov								
	er internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank (Na	ame der Datenbank und evtl. verwendete S	uchbegriffe)						
C. ALS WE	SENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN								
Kategorie ⁹	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe	der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.						
Ρ,Χ	EP 0 808 903 A (ROEHM GMBH) 26.No 1997 siehe das ganze Dokument	vember	1-11						
Ρ,Χ	WO 97 05219 A (ROEHM GMBH; METALLGESELLSCHAFT AG (DE); LOEFFRIDOLIN (DE); PL) 13.Februar 199siehe das ganze Dokument		12						
X	EP 0 575 133 A (SANKYO CO) 22.Dez 1993 siehe das ganze Dokument	ember	1-7,12, 13 8-11						
Y	WO 95 22615 A (NOVONORDISK AS ;SV ALLAN (DK); CLAUSEN IB GROTH (DK) 24.August 1995 siehe das ganze Dokument		8-11						
Weitere Veröffentlichungen sind der Fortsetzung von Feld C zu X Siehe Anhang Patentfamilie									
Besonder "A" Veröffe aber r "E" älteres Anme "L" Veröffe scheir ander soll or ausge "O" Veröffe eine E "P" Veröffe dem b	entlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist. Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen eldedatum veröffentlicht worden ist. De verstende veröffentlicht worden ist. De verstende veröffentlicht worden ist. De verstende	kann nicht als auf erfinderischer Tätigk werden, wenn die Veröffentlichung mit Veröffentlichungen dieser Kategorie in diese Verbindung für einen Fachmann "&" Veröffentlichung, die Mitglied derselben	worden ist und mit der zum Verständnis des der oder der ihr zugrundeliegenden uitung; die beanspruchte Erfindung chung nicht als neu oder auf uchtet werden uitung; die beanspruchte Erfindung eit beruhend betrachtet einer oder mehreren anderen Verbindung gebracht wird und naheliegend ist upatentfamilie ist						
Datum des	Abschlusses der internationalen Recherche	Absendedatum des internationalen Re	cherchenberichts						
5.Mai 1998		25/05/1998							
Name und	Postanschrift der Internationalen Recherchenbehörde Europäisches Patentamt, P.B. 5818 Patentlaan 2	Bevollmächtigter Bediensteter							
	Europaiscnes Patentami, P.B. 5818 Patentiati 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016 Hillenbrand, G								

1

INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

Angaben zu Veröffentlichungen, die zur selben Patentfamilie gehören

Inte phales Aktenzeichen PCT/EP 98/00081

Im Recherch angeführtes Pate		nt	Datum der Veröffentlichung		tglied(er) der atentfamilie	Datum der Veröffentlichung
EP 0808	903	Α	26-11-1997	DE AU CA	19620649 A 1997697 A 2205411 A	27-11-1997 27-11-1997 22-11-1997
WO 9705	219	Α	13-02-1997	DE	19527274 A	30-01-1997
EP 0575	133	A	22-12-1993	AU AU CA FI IL JP NZ US US US	667217 B 4130893 A 2098421 A 932758 A 106033 A 7031472 A 247891 A 5378623 A 5538874 A 5521080 A 6062850 A	14-03-1996 23-12-1993 17-12-1993 17-12-1993 04-01-1998 03-02-1995 26-10-1994 03-01-1995 23-07-1996 28-05-1996 08-03-1994
WO 9522	615	A	24-08-1995	AU CA EP FI JP	1806795 A 2183431 A 0746618 A 963266 A 9509058 T	04-09-1995 24-08-1995 11-12-1996 21-08-1996 16-09-1997